



UNIONE EUROPEA  
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale  
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



Al Direttore della Stazione Appaltante  
Dott. Daniela Corda  
c/o CNR Dipartimento di Scienze  
Biomediche – P.le Aldo Moro  
00185 ROMA

Al RUP  
Dr. Nicola Montemurro

Oggetto: DICHIARAZIONE DI ACCETTAZIONE DELL'INCARICO E DI ASSENZA DI CAUSE DI INCOMPATIBILITÀ E DI ASTENSIONE, QUALORA SORTEGGIATO PER LA NOMINA A COMPONENTE DELLA COMMISSIONE GIUDICATRICE PER LA GARA A PROCEDURA APERTA SOPRA SOGLIA PER L'AFFIDAMENTO DELLA FORNITURA GARA SOPRA SOGLIA COMUNITARIA MEDIANTE PROCEDURA TELEMATICA APERTA ART. 60 DEL D.LGS. 50/2016 E S.M.I., PER LA FORNITURA DI **PIATTAFORME DI GENOMICA, PROTEOMICA E METABOLOMICA** - CPV 38430000-8 APPARECCHI PER ANALISI E RIVELAZIONE - DA CONSEGNARE (E INSTALLARE) NELL'AMBITO DEL PROGETTO **PON R&I 2014-2020 PIR01\_00017 CNRBIOIMICS** - CENTRO NAZIONALE DI RICERCA IN BIOINFORMATICA PER LE SCIENZE "OMICHE", CUP B58D19000010005, DI CUI ALL'AVVISO N. 424/2018 AZIONE II.1, SUDDIVISA IN NOVE LOTTI FUNZIONALI.

**LOTTO 1** Sistema per mappatura fisica dei genomi ad altissima risoluzione (BioNano Genomics o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_218055, CIG 8329824438;  
**LOTTO 2** Sistema robotizzato per l'automazione del processo di preparazione delle librerie NGS (Liquid Handler) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_210401, CIG 83298433E6;  
**LOTTO 3** Piattaforma di sequenziamento ad elevata processività (Illumina NovaSeq o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_211411, CIG 8329870A2C;  
**LOTTO 5** Sistema UHPLC-MS ad alta risoluzione (Orbitrap Fusion o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_219648, CIG 8329916025;  
**LOTTO 6** Piattaforma di sequenziamento di lunghe molecole di acidi nucleici (PacBio Sequel o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_205093, CIG 8329932D55;  
**LOTTO 7** Piattaforma di Real-Time PCR (QuantStudio 12K Flex System o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_219040, CIG 83299468E4;  
**LOTTO 8** Sistema di sequenziamento Sanger (SeqStudio Genetic Analyzer o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_216512, CIG 83299571FA;



CNR Dipartimento di Scienze Biomediche - Piazzale Aldo Moro 7, 00185 Roma



UNIONE EUROPEA  
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale  
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



## DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DELL'ATTO DI NOTORIETA'

(art. 47 D.P.R. 28 dicembre 2000, n. 445)

Il sottoscritto **CARATTOZZO MARIANO FRANCESCO**, nato a **CONVERSANO (BARI)** il **23/03/1979**, con riferimento alla gara di cui in oggetto ed a seguito della comunicazione inviata dal RUP contenente l'intenzione di codesta Direzione di procedere alla nomina quale componente della Commissione giudicatrice, qualora sorteggiato, consapevole della responsabilità e delle conseguenze civili e penali previste in casi di rilascio di dichiarazioni mendaci e/o formazione di atti falsi e/o uso degli stessi, ai sensi e per gli effetti dell'art. 76 del D.P.R. n. 445/2000,

### DICHIARA

- 1) Di accettare l'incarico di cui trattasi;
- 2) Di uniformarsi ai principi contenuti nel "Codice di comportamento dei dipendenti delle Pubbliche Amministrazioni" (di cui D.P.R. 16/4/2013, n. 62 - pubblicato nella Gazzetta Ufficiale 4 giugno 2013, n. 129, in vigore dal 19 giugno 2013) nonché nel vigente "Codice di comportamento dei dipendenti CNR ai sensi dell'art. 54, comma 5, D. Lgs. 165/2001;
- 3) Di prendere atto che hanno presentato offerta i sottoelencati operatori economici:
  - BIOSENSE SRL, AURELIO SAFFI, CAP 20123 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 11928920153.
  - HAMILTON ITALIA SRL, VIA PARACELSO, 22 CAP 20864 AGRATE BRIANZA Codice fiscale/PARTITA IVA 06397950962
  - TECAN Italia srl, Via Brescia, 39, CAP 20063, Cernusco sul Naviglio MI, Codice fiscale 09615590156/PARTITA IVA 02750460962.
  - ILLUMINA ITALY s.r.l., Via Senigallia, 21 cap 20161 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 06814140965
  - PACIFIC BIOSCIENCES OF CALIFORNIA, Inc., Menlo Park, California, 1305 O'Brien Drive, 94025, Tax Codice 16-1590339.
  - LIFE TECHNOLOGIES ITALIA FIL. LIFE TECHNOLOGIES EUROPE B.V. , Via Pisani, 20 CAP 20124 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 12792100153.
  - THERMO FISHER SCIENTIFIC S.p.A, Strada Rivoltana KM 4, SNC, CAP 20053, Rodano (MI) Codice fiscale/PARTITA IVA 07817950152
- 4) L'assenza<sup>1</sup> di conflitto di interesse di cui all'art. 42 comma 2 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

<sup>1</sup> **Art. 42, comma 2 (Conflitto di interesse)** Si ha conflitto d'interesse quando il personale di una stazione appaltante o di un prestatore di servizi che, anche per conto della stazione appaltante, interviene nello svolgimento della procedura di aggiudicazione degli appalti e delle concessioni o può influenzarne, in qualsiasi modo, il risultato, ha, direttamente o indirettamente, un interesse finanziario, economico o altro interesse personale che può essere percepito come una minaccia alla sua imparzialità e indipendenza nel contesto della procedura di appalto o di concessione. In particolare, costituiscono situazione di conflitto di interesse quelle che determinano l'obbligo di astensione previste dall'art. 7 del DPR 16 aprile 2013, n° 62.

**Art. 77, commi 4, 5 e 6 (Commissione giudicatrice)** 4 - I commissari non devono aver svolto ne' possono svolgere alcun'altra funzione o incarico tecnico o amministrativo relativamente al contratto del cui affidamento si tratta. La nomina del RUP a membro delle commissioni di gara è valutata con riferimento alla singola procedura. 5 - Coloro che, nel biennio antecedente all'indizione della procedura di aggiudicazione, hanno ricoperto cariche di pubblico amministratore, non possono essere nominati commissari giudicatori relativamente ai contratti affidati dalle Amministrazioni presso le quali hanno esercitato le proprie funzioni d'istituto. 6 - Si applicano ai commissari e ai segretari delle commissioni l'articolo 35-bis del D.LGS. 30 marzo 2001, n. 165, l'articolo 51 del C.P.C.,

**CNR.BiOmics**

BIG DATA FOR BETTER LIFE





UNIONE EUROPEA  
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale  
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



- 5) L'assenza<sup>1</sup> delle cause di incompatibilità e di astensione di cui all'art. 77, commi 4, 5 e 6 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

Allega alla presente il proprio *curriculum vitae* nonché copia di un documento di identità in corso di validità, nel caso di sottoscrizione con firma autografa.

BARI, 24/07/2020

Firma

[Redacted signature]

nonché l'articolo 42 del D.LGS. 50/2016 e s.m.i. Sono altresì esclusi da successivi incarichi di commissario coloro che, in qualità di membri delle commissioni giudicatrici, abbiano concorso, con dolo o colpa grave accertati in sede giurisdizionale con sentenza non sospesa, all'approvazione di atti dichiarati illegittimi.

**Art. 7, DPR 62/2013 (Obbligo di astensione)** Il dipendente si astiene dal partecipare all'adozione di decisioni o ad attività che possano coinvolgere interessi propri, ovvero di suoi parenti, affini entro il secondo grado, del coniuge o di conviventi, oppure di persone con le quali abbia rapporti di frequentazione abituale, ovvero, di soggetti od organizzazioni con cui egli o il coniuge abbia causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito significativi, ovvero di soggetti od organizzazioni di cui sia tutore, curatore, procuratore o agente, ovvero di enti, associazioni anche non riconosciute, comitati, società o stabilimenti di cui sia amministratore o gerente o dirigente. Il dipendente si astiene in ogni altro caso in cui esistano gravi ragioni di convenienza.

**Art. 35-bis, D.LGS. 165/2001 (Prevenzione del fenomeno della corruzione nella formazione di commissioni e nelle assegnazioni agli uffici)** 1. Coloro che sono stati condannati, anche con sentenza non passata in giudicato, per i reati previsti nel capo I del titolo II del libro secondo del codice penale: a) non possono fare parte, anche con compiti di segreteria, di commissioni per l'accesso o la selezione a pubblici impieghi; b) non possono essere assegnati, anche con funzioni direttive, agli uffici preposti alla gestione delle risorse finanziarie, all'acquisizione di beni, servizi e forniture, nonché alla concessione o all'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari o attribuzioni di vantaggi economici a soggetti pubblici e privati; c) non possono fare parte delle commissioni per la scelta del contraente per l'affidamento di lavori, forniture e servizi, per la concessione o l'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari, nonché per l'attribuzione di vantaggi economici di qualunque genere.

**Art. 51 C.P.C. (Astensione del giudice)** Il giudice ha l'obbligo di astenersi: 1) se ha interesse nella causa o in altra vertente su identica questione di diritto; 2) se egli stesso o la moglie è parente fino al quarto grado o legato da vincoli di affiliazione, o è convivente o commensale abituale di una delle parti o di alcuno dei difensori; 3) se egli stesso o la moglie ha causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito con una delle parti o alcuno dei suoi difensori; 4) se ha dato consiglio o prestato patrocinio nella causa, o ha deposto in essa come testimone, oppure ne ha conosciuto come magistrato in altro grado del processo o come arbitro o vi ha prestato assistenza come consulente tecnico; 5) se è tutore, curatore, amministratore di sostegno, procuratore, agente o datore di lavoro di una delle parti; se, inoltre, è amministratore o gerente di un ente, di un'associazione anche non riconosciuta, di un comitato, di una società o stabilimento che ha interesse nella causa. In ogni altro caso in cui esistono gravi ragioni di convenienza, il giudice può richiedere al capo dell'ufficio l'autorizzazione ad astenersi; quando l'astensione riguarda il capo dell'ufficio, l'autorizzazione è chiesta al capo dell'ufficio superiore.

CNR.BiOmics  
BIG DATA FOR BETTER LIFE



CNR Dipartimento di Scienze Biomediche - Piazzale Aldo Moro 7, 00185 Roma

**DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE**  
(artt. 46-47 del D.P.R. 445 del 28/12/2000)

Il sottoscritto CARATTOZZOLO MARIANO FRANCESCO nato a ----- e  
residente a -----, **consapevole** delle sanzioni penali, nel caso di dichiarazioni  
non veritiere e falsità negli atti, richiamate dall'art. 76 del D.P.R. 445 del 28/12/2000,

**D I C H I A R A**

che quanto riportato nel seguente *Curriculum Vitae et Studiorum* corrisponde al vero:

**CURRICULUM VITAE ET STUDIORUM**

**Dati anagrafici:**

Nome:	CARATTOZZOLO MARIANO FRANCESCO
Luogo e data di nascita:	-----
Cittadinanza:	-----
Residenza:	-----
Telefono:	-----
Codice Fiscale :	-----
e-mail :	-----
indirizzo pec:	-----


**Studi compiuti e titoli conseguiti:**

07/03/2008	Acquisizione del titolo di Dottore di ricerca in Genetica ed Evoluzione molecolare presso l'Università degli Studi di Bari. Tesi di dottorato dal titolo: p73 e p63 sostengono una corretta progressione del ciclo cellulare attraverso l'attivazione trascrizionale di geni G1/S. Tutor: Dr.ssa Apollonia Tullo
05/11/2004 - 31/10/2007	Dottorando di Ricerca (XX ciclo) nel programma di Dottorato di Genetica ed Evoluzione Molecolare coordinato dal Prof. Mariano Rocchi Università degli Studi di Bari. Svolgimento presso l'Istituto di Tecnologie Biomediche, CNR di Bari Docente guida: Prof.ssa Cecilia Saccone Tutor: Dr.ssa Apollonia Tullo
12/02/2004	Abilitazione all'esercizio della libera professione di biologo.
30/10/2003	Laurea in Scienze Biologiche, Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali, Università degli Studi di Bari con voti 106/110

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



2002-2003

Studente interno presso il Dipartimento di Genetica e Microbiologia,  
Università degli Studi di Bari.

Tesi di laurea sperimentale dal titolo: Neocentromero e tracce di un  
centromero ancestrale in HSA4.

Coordinatore: Prof. Mariano Rocchi

**Attività professionale:**

**1) RICERCATORE T.I. III LIVELLO** presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e  
Biotecnologie Molecolari (IBIOM, ex IBBE) – CNR Bari

Numero Matricola: **012919**

Data: **05/11/2018** protocollo **N.0073218**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto di Biomembrane, Bioenergetica  
e Biotecnologie Molecolari (IBIOM)**

Periodo di attività **dal 30/11/2018 in corso**

**2)** Titolare di Assegno Senior per lo svolgimento di attività di ricerca nell'ambito del PROGETTO DI  
RICERCA INTEROMICS, per la tematica: “Effetti di microRNA di piante nella regolazione  
dell'espressione di geni umani con approcci NGS”.

Responsabile scientifico: Dott.ssa Domenica D'Elia, Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), CNR  
Bari

Data: **20/12/2017** protocollo **N.0002447**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)**

Periodo di attività **dal 01/01/2018 al 29/11/2018 (11 mesi)**

**3)** Titolare di Assegno Senior per lo svolgimento di attività di ricerca inerenti l'Area Scientifica  
"Scienze Biomediche" nell'ambito del programma di ricerca PROGETTO BANDIERA  
EPIGENOMICA per la tematica: “Validazione di dati NGS, con particolare attenzione alla  
caratterizzazione dell'espressione di miRNAs e altri ncRNAs, per l'identificazione di meccanismi di  
regolazione epigenetica coinvolti nell'insorgenza di condizioni patologiche”.

Responsabile scientifico: Prof. Graziano Pesole, Istituto di Biomembrane e Bioenergetica (IBBE) –  
CNR Bari

Data: **31/01/2017** protocollo **N.0000097**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto di Biomembrane e Bioenergetica  
(IBBE)**

Periodo di attività **dal 01/02/2017 al 31/12/2017 (11 mesi)**

**3)** Contratto di collaborazione professionale di lavoro autonomo occasionale per lo svolgimento  
dell'attività dal titolo: “Valutazione di metodologie bioinformatiche per l'analisi di dati di RNA-Seq  
per l'identificazione di splicing alternativi specifici di condizioni patologiche”.

Stipulato con: Istituto di Biomembrane e Bioenergetica (IBBE) – CNR Bari

Data: **24/11/2016** protocollo **N.0001547**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto di Biomembrane e Bioenergetica  
(IBBE)**

Periodo di attività **dal 12/12/2016 al 11/01/2017 (1 mese)**

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



4) Titolare di Assegno Professionalizzante per lo svolgimento di attività di ricerca inerenti l'Area Scientifica "Scienze Biomediche" nell'ambito del programma di ricerca PROGETTO MICROMAP (PON01\_02589) per la tematica: "Caratterizzazione su larga scala del profilo metatrascrittomico e metagenomico di campioni animali in diverse condizioni fisiopatologiche".

Responsabile scientifico: Dott.ssa Apollonia Tullo, Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), CNR Bari  
Data: **10/07/2012** protocollo **N.0001710**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)**  
Periodo di attività **dal 16/07/2012 al 15/07/2016 (48 mesi)**

5) Contratto di collaborazione coordinata continuativa (Co.Co.Co.) nel progetto FONDAZIONE CASSA DI RISPARMIO DI PUGLIA "Sviluppo di una terapia antitumorale basata su biopeptidi in grado di ripristinare l'attività dell'oncosoppressore p53", avente oggetto "Produzione e studio funzionale di un piccolo peptide per lo sviluppo di una nuova terapia antitumorale in grado di ripristinare l'attività dell'oncosoppressore p53"

Responsabile scientifico: Dott.ssa Apollonia Tullo, Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), CNR Bari  
Data: **28/10/2011** protocollo **N.0003007**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)**  
Periodo di attività **dal 12/01/2012 al 12/07/2012 (6 mesi)**

6) Contratto di lavoro a tempo determinato ai sensi dell'art. 23 del D.P.R.171/91 presso l'Istituto di Tecnologie Biomediche

Sede di svolgimento: Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR di Bari)

Data: **25/05/2011** protocollo **N.0001739**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)**  
Periodo di attività **dal 01/06/2011 al 31/08/2011 (3 mesi)**

7) Assegnista di ricerca presso il Dipartimento di Biochimica e Biologia Molecolare (Università degli Studi di Bari) nell'ambito del progetto "Predizione computazionale di isoforme di splicing e loro validazione sperimentale: nuovi biomarcatori tumorali e potenziali bersagli di terapia genica", ai sensi dell'art. 51- comma 6 della legge n.449 e del D.M. 11-2-1998

Responsabile scientifico: Dott.ssa Anna Maria D'Erchia (Dipartimento di Biochimica e Biologia Molecolare)

Sede di svolgimento: Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR di Bari)

Data: **12/03/2009** protocollo **N.20332**

Rilasciato da **Università degli Studi di Bari**

Periodo di attività **dal 01/04/2009 al 31/03/2011 (24 mesi)**

8) Assegnista di ricerca presso l'Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR di Bari) nell'ambito del Progetto Strategico in materia di ricerca scientifica (giusta delibera Giunta Regionale del 6 agosto 2005-AQP in materia di ricerca scientifica della Regione Puglia "Ricerca e sviluppo di nuovi strumenti bioinformatici e biotecnologici per l'analisi del profilo di espressione genica e proteica del cancro e per l'identificazione di marcatori biologici per la diagnosi precoce delle neoplasie colo-rettali, renali e del cavo orale"

Responsabile scientifico: Dott.ssa Elisabetta Sbisà

Sede di svolgimento: Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR di Bari)

Data: **05/11/2007** protocollo **N.0004351**

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)





Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)**  
**Periodo di attività dal 02/11/2007 al 02/03/2009 (16 mesi)**

**9)** Contratto di collaborazione esterna dal titolo “Classificazione con Gene Ontology dei geni target della famiglia genica dell’oncosoppressore p53”

Responsabile scientifico: Dott.ssa Elisabetta Sbisà, Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), CNR Bari  
Data: **04/03/2004** protocollo **N.883**

Rilasciato da **Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) – Istituto Tecnologie Biomediche (ITB)**  
**Periodo di attività dal 01/03/2004 al 02/10/2004 (7 mesi)**

**Attività didattica:**

**1)** TITOLARE dell’INSEGNAMENTO di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica – S.S.D. BIO/11 CFU Totali 3 (di cui 1 di lezioni frontali e 2 di laboratorio)

Facoltà di Scienze Biotechnologiche - Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Mediche e Farmaceutiche – sede di Bari

Anno Accademico 2019/2020 nr. ore complessive: **32**

Riferimento o n. protocollo: Conferimento incarico rilasciato dall’Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotechnologiche, firmato dal Direttore del Dipartimento di Bioscienze, Biotechnologie e Biofarmaceutica

**2)** TITOLARE dell’INSEGNAMENTO di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica – S.S.D. BIO/11 CFU Totali 3 (di cui 1 di lezioni frontali e 2 di laboratorio)

Facoltà di Scienze Biotechnologiche - Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Mediche e Farmaceutiche – sede di Bari

Anno Accademico 2017/2018 nr. ore complessive: **32**

Riferimento o n. protocollo: Conferimento incarico rilasciato dall’Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotechnologiche, firmato dal Direttore del Dipartimento di Bioscienze, Biotechnologie e Biofarmaceutica

**3)** Contratto d’opera occasionale per attività di Tutorato per lo svolgimento di attività didattica teorico-pratica nell’ambito della Biologia Molecolare e della Bioinformatica, nell’ambito del Progetto Nazionale di Biologia e Biotechnologie afferente al Piano Lauree Scientifiche 2014-2016, previsto dal DM 976/2014 art. 3, commi 4 e 5.

**D.D. n°42 data 09/05/2017**

**Periodo di attività dal 12/05/2017 al 11/06/2017 (1 mese)**

**4)** TITOLARE dell’INSEGNAMENTO di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica – S.S.D. BIO/11 CFU Totali 3 (di cui 1 di lezioni frontali e 2 di laboratorio)

Facoltà di Scienze Biotechnologiche - Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Mediche e Farmaceutiche – sede di Bari

Anno Accademico 2016/2017 **nr. ore complessive: 32**

Riferimento o n. protocollo: Conferimento incarico rilasciato dall’Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotechnologiche, firmato dal Direttore del Dipartimento di Bioscienze, Biotechnologie e Biofarmaceutica

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



5) Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica della Prof.ssa Apollonia Tullo

Facoltà di Scienze Biotecnologiche - Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche

Anno Accademico 2010/2011 **nr. ore complessive: 12**

Anno Accademico 2011/2012 **nr. ore complessive: 12**

Anno Accademico 2013/2014 **nr. ore complessive: 12**

Riferimento o n. protocollo: Attestati rilasciati dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

6) Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Biologia Molecolare del Prof.ssa Anna Maria D'Erchia

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche

Anno Accademico 2010/2011 **nr. ore complessive: 12**

Anno Accademico 2011/2012 **nr. ore complessive: 12**

Anno Accademico 2013/2014 **nr. ore complessive: 12**

Riferimento: Attestati rilasciati dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

7) Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Biologia Molecolare del Prof. Graziano Pesole

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche

Anno Accademico 2009/2010 **nr. ore complessive: 8**

Riferimento: Attestato rilasciato dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

8) Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica della Prof.ssa Anna Maria D'Erchia

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche

Anno Accademico 2009/2010 **nr. ore complessive: 16**

Riferimento: Attestati rilasciati dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

9) Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Biotecnologie II della Prof.ssa Apollonia Tullo

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Sanitarie e Farmaceutiche

Anno Accademico 2008/2009 **nr. ore complessive: 37**

Riferimento: Attestato rilasciato dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

10) Docenza nell'ambito del "Corso di Formazione PST\_012 Modulo Genomica

Università degli Studi di Foggia – Centro di Ricerca Interdipartimentale "Bioagromed"

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)





Data: 06/05/2008 **nr. ore complessive: 8**

Riferimento: Mandato n.115 rilasciato da Università degli Studi di Foggia – Centro di Ricerca Interdipartimentale "Bioagromed"

**11)** Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Biologia Molecolare del Prof. Graziano Pesole"

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Sanitarie e Farmaceutiche

Anno Accademico 2006/2007 **nr. ore complessive: 36**

Anno Accademico 2007/2008 **nr. ore complessive: 36**

Anno Accademico 2008/2009 **nr. ore complessive: 12**

Riferimento: Attestati rilasciati dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

**12)** Partecipazione all'attività didattica di supporto alle esercitazioni nel corso di Laboratorio di Biologia Molecolare e Biotecnologie II della Prof.ssa Anna Maria D'Erchia

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Sanitarie e Farmaceutiche

Anno Accademico 2006/2007 **nr. ore complessive: 43**

Anno Accademico 2007/2008 **nr. ore complessive: 44**

Anno Accademico 2009/2010 **nr. ore complessive: 36**

Riferimento: Attestati rilasciati dall'Università degli studi di Bari, Facoltà di Scienze Biotecnologiche, firmati dal Preside della Facoltà

**Relatore/Correlatore di tesi di laurea e Tutor di laboratorio:**

**1)** RELATORE di tesi di laurea compilativa in Laboratorio di Biologia Molecolare dal titolo "Studio del ruolo di p53 nella cellula e degli approcci terapeutici finalizzati alla sua corretta funzionalità"

**nr. ore complessive: 75**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche

Anno Accademico 2017/2018

**2)** RELATORE di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Laboratorio di Biologia Molecolare e Bioinformatica dal titolo "Studio del ruolo di p53 e TRIM8 nella regolazione del gene autofagico BECN-1"

**nr. ore complessive: 75**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell'Università degli Studi di Bari

Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche

Anno Accademico 2016/2017

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



3) TUTOR di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio della regolazione mediata da TRIM8 nel ripristino dei livelli dell’oncosoppressore p53 e della risposta ai chemioterapici nel cancro del colon”

**nr. ore complessive: 150**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell’Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2014/2015

4) TUTOR di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Ruolo dell’antimiR17-5p nel recupero dell’attività dell’oncosoppressore p53 in risposta ai trattamenti chemioterapici nel Carcinoma Renale a cellule chiare”

**nr. ore complessive: 600**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell’Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Specialistica in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare  
Anno Accademico 2014/2015

5) TUTOR di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio della regolazione di TRIM8 mediata dal microRNA-17-5p”

**nr. ore complessive: 150**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell’Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2014/2015

6) TUTOR di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “L’oncomiR-17 inibisce l’oncosoppressore p53 attraverso la repressione di TRIM8”

**nr. ore complessive: 150**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell’Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2013/2014

7) CORRELATORE della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Analisi dell’espressione di TRIM8, nuovo modulatore dell’oncosoppressore p53, nei tessuti tumorali”

**nr. ore complessive: 600**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell’Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Specialistica in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare  
Anno Accademico 2010/2011

8) TUTOR di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Ruolo dei domini funzionali di TRIM8 sulla stabilità e attività di p53”

**nr. ore complessive: 300**

Facoltà di Scienze Biotecnologiche dell’Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotecnologie Sanitarie e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2010/2011

9) TUTOR di laboratorio della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio dei meccanismi di degradazione di MDM2 e  $\Delta Np63\alpha$  indotti da TRIM8”

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



**nr. ore complessive: 300**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Sanitarie e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2009/2010

**10) CORRELATORE** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio del ruolo dei membri della famiglia genica dell'oncosoppressore p53 nella modulazione dell'espressione dei geni STIM1 e STIM2”

**nr. ore complessive: 300**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Sanitarie e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2009/2010

**11) CORRELATORE** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio degli effetti del deficit di TRIM8 sull'attivazione di p53 indotta da stress”

**nr. ore complessive: 600**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Specialistica in Biotechnologie Mediche e Medicina Molecolare  
Anno Accademico 2009/2010

**12) CORRELATORE** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Ruolo di TRIM8 nella regolazione della stabilità di p53 e  $\Delta Np63\alpha$ ”

**nr. ore complessive: 600**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Specialistica in Biotechnologie Mediche e Medicina Molecolare  
Anno Accademico 2009/2010

**13) CORRELATORE** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio del ruolo dei membri della famiglia genica di p53 nella regolazione dell'espressione del gene IGFBP3”

**nr. ore complessive: 300**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Sanitarie e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2009/2010

**14) CORRELATORE** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio del coinvolgimento di MDM2 nel processo di stabilizzazione dell'oncosoppressore p53 e conseguente diminuzione della proliferazione cellulare indotta da TRIM8”

**nr. ore complessive: 300**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Sanitarie e Farmaceutiche  
Anno Accademico 2008/2009

**15) CORRELATORE** della tesi di laurea sperimentale in Biologia Molecolare dal titolo “Studio dell'attività di p53 mediata da TRIM8”


**nr. ore complessive: 300**

Facoltà di Scienze Biotechnologiche dell'Università degli Studi di Bari  
Corso di Laurea Triennale in Biotechnologie Sanitarie e Farmaceutiche

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



**Conoscenze tecniche di biologia molecolare e cellulare:**

**Tecniche di estrazione di acidi nucleici e proteine**

- Estrazione di DNA da cloni BAC (Bacterial Artificial Chromosome)
- Estrazione di DNA genomico, con diversi kit commerciali e soluzioni lab-made
- Estrazione di DNA plasmidico, con diversi kit commerciali
- Estrazione di RNA da colture cellulari, siero e PBMC, con diversi kit commerciali
- Estrazione di microRNA da colture cellulari, siero e PBMC, con diversi kit commerciali
- Estrazione di proteine da colture cellulari con soluzioni lab-made

**Tecniche di separazione, analisi e purificazione acidi nucleici**

- Elettroforesi su gel di agarosio o di acrilammide
- Screening di libraries di DNA
- Analisi di frammenti di DNA (AFLP e Microsatelliti)
- DNA fingerprinting

**Tecniche di amplificazione e analisi acidi nucleici**

- PCR (Polimerase Chain Reaction)
- Colony PCR
- qPCR
- Digital-PCR
- RACE 5' e 3'

**Tecniche di sequenziamento**

- Sequenziamento Sanger semiautomatico di DNA (genomico, frammenti di PCR, cloni plasmidici, ecc.)
- Next Generation Sequencing (NGS): sequenziatore Roche 454 GS FLX+  
Estrazione di acidi nucleici (DNA, RNA, microRNA e altri ncRNA) da matrici eterogenee (colture cellulari, PBMC, terreno, ecc.)  
Preparazione di librerie trascrittomiche e metatracrittomiche  
Sequenziamento  
Analisi dati e loro validazione tramite qPCR

**Saggi funzionali**

- Saggi reporter (saggi CAT e Luciferasi)
- RNA interference (siRNA)

**Tecniche di ibridazione**

- Ibridazione *in situ* fluorescente (FISH) : Marcatura diretta e indiretta di sonde di DNA.  
Precipitazione di sonde di DNA.  
Preparazione di preparati metafasici.  
Invecchiamento rapido di vetrini  
Ibridazione, Bloccaggio, Rivelazione del segnale
- Ibridazione *in situ* radioattiva

A black rectangular redaction box covering the signature of the official.

- Southern Blotting
- Western Blotting
- Colony hybridization
- Microarray

### **Microscopia**

- Microscopia a fluorescenza

### **Tecniche di immunoprecipitazione**

- Immunoprecipitazione della cromatina (ChIP)
- Co-immunoprecipitazione

### **Colture cellulari**

- Primarie
- Immortalizzate
- Trasfettate stabilmente

### **Altre tecniche**

- Clonaggio di frammenti di DNA in vettori plasmidici
- Definizione di cariotipi
- Microdissezione
- Citofluorimetria

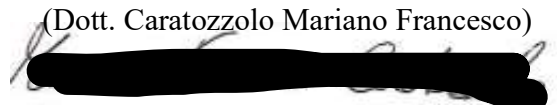
### **Conoscenze informatiche:**

- Programmi di acquisizione e analisi associati a sequenziatori semi-automatici (ABI PRISM Sequencing Analysis, ABI PRISM Gene Scan Analysis, Genotyper, FinchTV, BioEdit, Chromas)
- Programmi di analisi sequenze genomiche (pacchetto DNA star per PC e MAC, PatSearch, DNafan)
- Utilizzo di database per l'analisi e la validazione di dati prodotti da Piattaforme di Sequenziamento Next Generation Sequencing (NGS) e la "ricostruzione" di network di geni differenzialmente espressi (STRING, DAVID EASE, GENEMANIA, G:PROFILER)
- Programmi di acquisizione e analisi associati a Real Time PCR systems (SDS2.2.1 per analisi 7900HT RealTime PCR)
- Programmi di acquisizione e analisi associati a citofluorimetri (Cell Quest, ModFit)
- Programmi di acquisizione e analisi associati a microscopi a fluorescenza

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



LEICA (IP Lab) e ZEISS (Axiovision)

- Programmi di acquisizione e analisi associati a sistemi microarray Applied Biosystems (AB1700)
- Utilizzo databases bioinformatici (Ensemble Genome Browser, UCSC, p53FamTAG)
- Utilizzo di database per la ricerca e validazione di target di microRNA (TargetScan, miRBase, DIANA Tools-TarBase)

Altro : Adobe Photoshop, Pacchetto Office.

### **Conoscenze linguistiche:**

Italiano: lingua nativa

Inglese: ottimo scritto e parlato

### **Appartenenza a società scientifiche:**

Socio SIC (Società Italiana di Cancerologia)

Socio EACR (European Association for Cancer Research)

### **Attività di revisore per riviste internazionali:**

Mini Reviews in Medicinal Chemistry (2010)

Cellular Physiology and Biochemistry (2017)

JSM Surgical Oncology and Research (2017)

OncoTargets and Therapy (2017)

### **Pubblicazioni su riviste scientifiche internazionali:**

**1) Caratozzolo MF\***, Marzano F\*, Abbrescia DI, Mastropasqua F, Petruzzella V, Calabrò V, Pesole G, Sbisà E, Guerrini L, Tullo A.

TRIM8 Blunts the Pro-proliferative Action of  $\Delta Np63\alpha$  in a p53 Wild-Type Background.

Front Oncol. **2019** Nov 5;9:1154.

DOI: 10.3389/fonc.2019.01154. eCollection 2019.

\*co-primo autore

**2) Ivone, M, Lamberti, L, Pappalettere, C, Caratozzolo, MF, Tullo, A.**

Experimental comparison Of MCF7 And MCF10A response to low intensity ultrasound.

Journal of Mechanics in Medicine and Biology. **2019** Vol. 19, No. 06, 1950057

DOI: 10.1142/S021951941950057X

**3) Marzano F, Faienza MF, Caratozzolo MF, Brunetti G, Chiara M, Horner DS, Annese A, D'Erchia AM, Consiglio A, Pesole G, Sbisà E, Inzaghi E, Cianfarani S, Tullo A.**

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)





Pilot study on circulating miRNA signature in children with obesity born small for gestational age and appropriate for gestational age.

Pediatr Obes. **2018** Dec;13(12):803-811.

DOI: 10.1111/ijpo.12439.

4) Annese A, Manzari C, Lionetti C, Picardi E, Horner DS, Chiara M, **Caratozzolo MF**, Tullo A, Fosso B, Pesole G, D'Erchia AM.

Whole transcriptome profiling of Late-Onset Alzheimer's Disease patients provides insights into the molecular changes involved in the disease.

Sci Rep. **2018** Mar 9;8(1):4282.

DOI: 10.1038/s41598-018-22701-2.

5) **Caratozzolo MF**, Marzano F, Mastropasqua F, Sbisà E, Tullo A.

TRIM8: Making the Right Decision between the Oncogene and Tumour Suppressor Role.

Genes (Basel). **2017** Nov 28;8(12). pii: E354.

DOI: 10.3390/genes8120354. Review.

6) Mastropasqua F, Marzano F, Valletti A, Aiello I, Di Tullio G, Morgano A, Liuni S, Ranieri E, Guerrini L, Gasparre G, Sbisà E, Pesole G, Moschetta A, **Caratozzolo MF\***, Tullo A\*

TRIM8 restores p53 tumour suppressor function by blunting N-MYC activity in chemo-resistant tumours.

Mol Cancer. **2017** Mar 21;16(1):67.

DOI: 10.1186/s12943-017-0634-7.

7) Consiglio A, Mencar C, Grillo G, Marzano M, **Caratozzolo MF**, Liuni S

A fuzzy method for RNA-Seq differential expression analysis in presence of multireads.

BMC Bioinformatics **2016** 17(Suppl 12):345.

DOI: 10.1186/s12859-016-1195-2

8) Marzano F, Ventura A, **Caratozzolo MF**, Aiello I, Mastropasqua F, Brunetti G, Cavallo L, Sbisà E, Faienza MF, Tullo A.

The p53 family member p73 modulates the proliferative role of IGFBP3 in short children born small for gestational age.

Mol Biol Cell. **2015** Aug 1;26(15):2733-41.

DOI: 10.1091/mbc.E15-02-0105.

9) **Caratozzolo MF\***, Valletti A\*, Gigante M, Aiello I, Mastropasqua F, Marzano F, Ditunno P, Carrieri G, Simonnet H, D'Erchia AM, Ranieri E, Pesole G, Sbisà E, Tullo A.

TRIM8 anti-proliferative action against chemo-resistant Renal Cell Carcinoma.

Oncotarget **2014** Sep 15;5(17):7446-57.

DOI: 10.18632/oncotarget.2081

\*co-primo autore

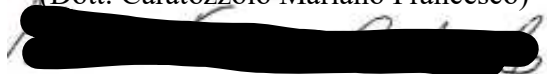
10) Calabrese C, Mangiulli M, Manzari C, Paluscio AM, **Caratozzolo MF**, Marzano F, Kurelac I, D'Erchia AM, D'Elia D, Licciulli F, Liuni S, Picardi E, Attimonelli M, Gasparre G, Porcelli AM, Pesole G, Sbisà E, Tullo A.

A platform independent RNA-Seq protocol for the detection of transcriptome complexity.

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



BMC Genomics. **2013** Dec 5;14(1):855.  
DOI: 10.1186/1471-2164-14-855.

**11)** Calabrese C, Iommarini L, Kurelac I, Calvaruso MA, Capristo M, Lollini PL, Nanni P, Bergamini C, Nicoletti G, Giovanni CD, Ghelli A, Giorgio V, **Caratozzolo MF**, Marzano F, Manzari C, Betts CM, Carelli V, Ceccarelli C, Attimonelli M, Romeo G, Fato R, Rugolo M, Tullo A, Gasparre G, Porcelli AM.

Respiratory complex I is essential to induce a Warburg profile in mitochondria-defective tumor cells.  
Cancer Metab. **2013** Mar 18;1(1):11.  
DOI: 10.1186/2049-3002-1-11.

**12)** Bartoletti-Stella A, Mariani E, Kurelac I, Maresca A, **Caratozzolo MF**, Iommarini L, Carelli V, Eusebi LH, Guido A, Cenacchi G, Fuccio L, Rugolo M, Tullo A, Porcelli AM, Gasparre G.  
Gamma rays induce a p53-independent mitochondrial biogenesis that is counter-regulated by HIF1 $\alpha$ .  
Cell Death Dis. **2013** Jun 13;4:e663.  
DOI: 10.1038/cddis.2013.187.

**13)** Vieux-Rochas M, Bouhali K, Mantero S, Garaffo G, Provero P, Astigiano S, Barbieri O, **Caratozzolo MF**, Tullo A, Guerrini L, Lallemand Y, Robert B, Levi G, Merlo GR.  
BMP-Mediated Functional Cooperation between Dlx5/Dlx6 and Msx1/Msx2 during Mammalian Limb Development.

PLoS One. **2013**;8(1):e51700.  
DOI: 10.1371/journal.pone.0051700.

**14)** **Caratozzolo MF\***, Micale L\*, Turturo MG, Cornacchia S, Fusco C, Marzano F, Augello B, D'Erchia AM, Guerrini L, Pesole G, Sbisà E, Merla G, Tullo A.  
TRIM8 modulates p53 activity to dictate cell cycle arrest.  
Cell Cycle. **2012** Feb 1;11(3).  
DOI: 10.4161/cc.11.3.19008.

\*co-primo autore

**15)** Faienza MF, Marzano F, Ventura AM, Wasniewska M, Valenzise M, Valletti A, **Caratozzolo MF**, Cornacchia S, Sbisà E, Cavallo L, Tullo A.  
Regulation of IGFBP3 gene expression in short children born small for gestational age.  
Growth Horm IGF Res. **2011** Dec;21(6):349-55.  
DOI: 10.1016/j.ghir.2011.09.003.

**16)** Valenti D, Tullo A, **Caratozzolo MF**, Merafina RS, Scartezzini P, Marra E, Vacca RA.  
Impairment of F1F0-ATPase, adenine nucleotide translocator and adenylate kinase causes mitochondrial energy deficit in human skin fibroblasts with chromosome 21 trisomy.  
Biochem J. **2010** Sep 28;431(2):299-310.  
DOI: 10.1042/BJ20100581.

**17)** Lefkimmiatis K\*, **Caratozzolo MF\***, Merlo P, D'Erchia AM, Navarro B, Levrero M, Sbisà E, Tullo A.  
p73 and p63 sustain cellular growth by transcriptional activation of cell cycle progression genes.  
Cancer Res. **2009** Nov 15;69(22):8563-71.  
Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



DOI: 10.1158/0008-5472.CAN-09-0259.

\*co-primo autore

**18)** Gerbino A, Ranieri M, Lupo S, Caroppo R, Debellis L, Maiellaro I, **Caratozzolo MF**, Lopez F, Colella M.

Ca<sup>2+</sup>-dependent K<sup>+</sup> efflux regulates deoxycholate-induced apoptosis of BHK-21 and Caco-2 cells.

*Gastroenterology*. **2009** Sep;137(3):955-64, 964.e1-2.

DOI: 10.1053/j.gastro.2009.03.038.

**19)** Mangiulli M, Valletti A, **Caratozzolo MF**, Tullo A, Sbisà E, Pesole G, D'Erchia AM.

Identification and functional characterization of two new transcriptional variants of the human p63 gene.

*Nucleic Acids Res*. **2009** Oct;37(18):6092-104.

DOI: 10.1093/nar/gkp674.

**20)** Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, **Caratozzolo MF**, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

p53FamTaG : a database resource of human p53, p63 and p73 direct target genes combining in silico prediction and microarray data.

*BMC Bioinformatics*. **2007** Mar 8;8 Suppl 1:S20.

DOI: 10.1186/1471-2105-8-S1-S20

**21)** Sbisà E, Mastropasqua G, Lefkimmatis K, **Caratozzolo MF**, D'Erchia AM, Tullo A.

Connecting p63 to cellular proliferation: the example of the adenosine deaminase target gene.

*Cell Cycle*. **2006** Jan;5(2):205-12.

DOI: 10.4161/cc.5.2.2361

### **Presentazioni orali a congressi nazionali e internazionali:**

**1) TRIM8 role in the crosstalk between MYCN-miR17 family pathway and p53 tumour suppressor protein in chemo-resistant tumours**

F. Mastropasqua, F. Marzano, A. Valletti, I. Aiello, G. Di Tullio, A. Morgano, S. Liuni, E. Ranieri, L. Guerrini, G. Gasparre, E. Sbisà, G. Pesole, A. Moschetta, **M. F. Caratozzolo\***, A. Tullo\*

CSSA 2016 Meeting "Cell Stress: Survival and Apoptosis", ABCD - Associazione di Biologia Cellulare e del Differenziamento, Bari 9-10 Settembre 2016

**2) The p53 family proteins control the physiological cell cycle progression by regulating proliferative genes**

**Mariano Francesco Caratozzolo**, Konstantinos Lefkimmatis, Paola Merlo, Anna Maria D'Erchia, Beatriz Navarro, Massimo Levrero, Elisabetta Sbisà, and Apollonia Tullo

10° Convegno annuale FISV, Riva del Garda (TN) 24-27 Settembre 2008

**3) Connecting p63 to cell proliferation: the example of the Adenosine Deaminase target gene.**

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



Mastropasqua G, Lefkimmiatis K, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Saccone C, Sbisà E, Tullo A.

2° Seminario Nazionale “Il Ciclo Cellulare – The Cell Cycle” - SIBBM Roma 8-10 Giugno 2006

**Posters a congressi nazionali e internazionali:**

**1) TRIM8 restores p53 tumour suppressor function through quenching of N-MYC activity and blunts tumorigenic potential and chemo-resistance in Renal Carcinoma**

Mastropasqua F, Marzano F, Valletti A, Aiello I, Di Tullio G, Morgano A, Liuni S, Ranieri E, Guerrini L, Gasparre G, Sbisà E, Pesole G, Moschetta A, Caratozzolo MF\*, Tullo A\*

14° Convegno annuale FISV, Roma (Italia), 20-23 Settembre 2016

**2) Plant microRNAs and human cancer cell proliferation: a beneficial cross-kingdom interaction.**

Marzano F, Caratozzolo M, Liuni S, Sbisà E, Consiglio A, Licciulli F, D'Elia D, D'Erchia AM, Tullo A, Catalano D.

BITS 2016, Salerno (Italia), 15-17 Luglio 2016

**3) Effects of edible plant microRNAs on cancer cell proliferation: a beneficial cross-kingdom interaction**

F. Marzano, M.F. Caratozzolo, S. Liuni, E. Sbisà, A. Tullo, D. Catalano

NETTAB 2015 & Integrative Bioinformatics 2015 Joint Symposium, Bari (Italia), 12-16 Ottobre 2015

**4) TRIM8 anti-proliferative action against p53 wild type chemo-resistant tumours**

Mastropasqua F, Morgano A, Caratozzolo MF, Di Tullio G, Aiello I, Valletti A, Marzano F, D'Erchia AM, Pesole G, Sbisà E, Moschetta A, Tullo A

16th International p53 workshop, Stoccolma (Svezia), 15-19 Giugno 2014

**5) TRIM8 role in the crosstalk between MYCN miR17 pathway and p53 tumour suppressor protein**

Caratozzolo MF, Mastropasqua F, Marzano F, Valletti A, D'Erchia AM, Pesole G, Sbisà E, Tullo A

16th International p53 workshop, Stoccolma (Svezia), 15-19 Giugno 2014

**6) TRIM8 antiproliferative action against chemo-resistant Renal Cell Carcinoma with wild-type p53**

Caratozzolo MF, Valletti A, Gigante M, Aiello I, Mastropasqua F, Marzano F, Battaglia M, Carrieri G, Simonnet H, D'Erchia AM, Ranieri E, Pesole G, Sbisà E, Tullo A

9° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, Pavia (Italia), 5-7 Giugno 2013

**7) A novel general-purpose RNA-Seq protocol optimizing the detection of transcriptome expression complexity**

Claudia Calabrese, Marina Mangiulli, Caterina Manzari, Anna Maria Paluscio, Mariano Francesco Caratozzolo, Flaviana Marzano, Ivana Kurelac, Anna Maria D'Erchia, Domenica D'Elia, Flavio Licciulli, Sabino Liuni, Ernesto Picardi, Marcella Attimonelli, Giuseppe Gasparre, Anna Maria Porcelli, Graziano Pesole, Elisabetta Sbisà and Apollonia Tullo

Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2012), Bari (Italia), 5-7 Dicembre 2012

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



**8) TRIM8 up-regulation restores p53 tumor suppressor activity in renal cell carcinoma**

**M.F. Caratozzolo**, A. Valletti, M. Gigante, I. Aiello, F. Mastropasqua, M. Battaglia, G. Carrieri, A.M. D'Erchia, E. Ranieri, G. Pesole, E. Sbisà, A. Tullo

12° Convegno annuale FISV, Roma (Italia), 24-27 Settembre 2012

**9) TRIM8 suppresses cell proliferation by antagonizing  $\Delta$ Np63 $\alpha$  oncogenic activity**

**Caratozzolo MF**, Lopardo T, Marzano F, Valletti A, D'Erchia AM, Pesole G, Sbisà E, Guerrini L, Tullo A

12° Convegno annuale FISV, Roma (Italia), 24-27 Settembre 2012

**10) TRIM8: a new key modulator of the p53 pathway**

**Mariano Francesco Caratozzolo**, Francesca Mastropasqua, Italia Aiello, Teresa Lopardo, Flaviana Marzano, Alessio Valletti, Anna Maria D'Erchia, Graziano Pesole, Elisabetta Sbisà, Luisa Guerrini, ApolloniaTullo

8° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, Palermo (Italia), 24-26 Maggio 2012

**11) 454 GS-FLX TITANIUM PLATFORM: The Experience of ITB-BA**

D'Elia D, Mangiulli M, Santamaria M, Paluscio AM, Manzari C, **Caratozzolo MF**, Marzano F, Marzano M, Perlino E, Fuzio P, Valletti A, D'Erchia AM, Consiglio A, Gisel A, Vicario S, Balech B, Licciulli F, Grillo G, Liuni S, Picardi E, Pesole G, Sbisà E, Tullo A.

Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2011) – Bari (Italia), 12-14 Ottobre 2011

**12) Identification of new p53 regulatory networks through NGS data analysis**

D'Elia D, Mangiulli M, Paluscio AM, Manzari C, **Caratozzolo MF**, Marzano F, D'Erchia AM, Mignone F, Licciulli F, Grillo G, Consiglio A, De Caro G, Liuni S, Pesole G, Sbisà E, Tullo A.

Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2011) – Bari (Italia), 12-14 Ottobre 2011

**13) Understanding the role of TRIM8, a new p53 target gene that modulates p53 activity, in the progression of glioma**

L.Micale, **M.F.Caratozzolo**, C.Fusco, B.Augello, M.N.Loviglio, M.G.Turturo, G.Cotugno, T.Lopardo, F.Galli, Cornacchia S, Marzano F, A.M.D'Erchia, L.Guerrini, G.Pesole, E.Sbisà, A.Tullo, G.Merla

12<sup>th</sup> International Congress of Human Genetics (ICHG), Montreal (Canada), 11-15 Ottobre 2011

**14) Role of the p53 oncosuppressor gene family members in the expression regulation of the IGFBP3 gene**

Marzano F, Faienza MF, Sbisà E, **Caratozzolo MF**, Ventura AM, Tullo A, Cavallo L

LWPES/ESPE 9th Joint Meeting Global Care in Pediatric Endocrinology, Praga (Repubblica Ceca), 22-25 Settembre 2010

**15) Role of the p53 oncosuppressor gene family members in the expression regulation of genes involved in the intracellular transduction of growth signals**

Marzano F, Faienza MF, **Caratozzolo MF**, Cornacchia S, Ventura AM, D'Erchia AM, Sbisà E, Cavallo L, Tullo A

6° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, Padova (Italia), 3-5 Giugno 2010

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



**16) A bioinformatics workflow for the analysis of transcriptome data generated by deep-sequencing**

Licciulli F, Caratozzolo MF, Cornacchia S, D'Elia D, D'Erchia AM, Fosso B, Grillo G, Liuni S, Mangiulli M, Manzari C, Mignone F, Paluscio AM, Picardi E, Sbisà E, Tullo A, Pesole G.

BITS 2010, Bari (Italia), 14-16 Aprile 2010

**17) Study of the regulation of the *IGFBP3* gene expression in short children born small for gestational age**

Maria Felicia Faienza; Flaviana Marzano; Mariano Francesco Caratozzolo; Elisabetta Sbisà; Luciano Cavallo; Apollonia Tullo

LWPES/ESPE 8th Joint Meeting Global Care in Pediatric Endocrinology, New York, N.Y., USA, 9-12 Settembre 2009

**18) The TRIM8 gene is a novel player of p53 pathway**

L. Micale, M.F. Caratozzolo, A.M. D'Erchia, M.G. Turturo, B. Augello, C. Fusco, P. Malatesta, E. Sbisà, A. Tullo, G. Merla

European Human Genetics Conference 2009, Vienna (Austria), 23-26 Maggio 2009

**19) Identification of new human p63 splicing isoforms and study of their functional role**

Marina Mangiulli, Mariano Francesco Caratozzolo, Apollonia Tullo, Elisabetta Sbisà, Graziano Pesole, Anna Maria D'Erchia

10° Convegno annuale FISV, Riva del Garda (TN) (Italia), 24-27 Settembre 2008

**20) The p53 family proteins control the physiological cell cycle progression by regulating proliferative genes**

Mariano Francesco Caratozzolo, Konstantinos Lefkimmatis, Paola Merlo, Anna Maria D'Erchia, Beatriz Navarro, Massimo Levrero, Elisabetta Sbisà, and Apollonia Tullo

10° Convegno annuale FISV, Riva del Garda (TN) (Italia), 24-27 Settembre 2008

**21) Identification of new human p63 splicing isoforms**

Mangiulli M, Caratozzolo MF, Tullo A, Sbisà E, Pesole G, D'Erchia AM.

EPISTEM Conference, Gent (Belgio), 27-29 Febbraio 2008

**22) p73 and p63 sustain cellular proliferation by transcriptional activation of cell cycle progression genes**

Caratozzolo MF, Lefkimmatis K, Merlo P, D'Erchia AM, Navarro B, Levrero M, Sbisà E, Tullo A.

EPISTEM Conference, Gent (Belgio), 27-29 Febbraio 2008

**23) p53FamTaG database: a public resource which integrates genome-wide in silico and experimental analyses of p53 family direct target genes.**

Navarro B, D'Erchia AM, Tullo A, Caratozzolo MF, Cavone D, De Grassi A, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, Liuni S, Gisel A, Pesole G, Saccone C, Sbisà E.

p63/p73 3th international workshop - Roma (Italia), 18-21 Marzo 2007

**24) Identification of the oncosuppressor p53 gene family direct target genes combining in silico prediction and microarray data and construction of a specialised database.**

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)





Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

48° Congresso Nazionale Società Italiana di Cancerologia, Bari (Italia), 1-4 Ottobre 2006

**25) p53FamTaG: a database of p53 family members direct target genes integrating in silico prediction and microarray data.**

Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, D'Elia D, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

8° Convegno annuale FISV, Riva del Garda (TN) (Italia), 28 Settembre-1 Ottobre 2006

**26) p53FamTaG: a database of p53 family members direct target genes integrating in silico prediction and microarray data.**

Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, D'Elia D, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

EMBNET AGM, Scandinavia (Uppsala/Helsinki), 15-18 Giugno 2006

**27) Connecting p63 to cell proliferation: the example of the Adenosine Deaminase target gene.**

Mastropasqua G, Lefkimmatis K, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Saccone C, Sbisà E, Tullo A.

2° Seminario Nazionale "Il Ciclo Cellulare – The Cell Cycle" - SIBBM Roma (Italia), 8-10 Giugno 2006

**28) p53FamTaG : a database resource of human p53, p63 and p73 direct target genes combining in silico prediction and microarray data.**

Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

BITS 2006, Bologna (Italia), 28-29 Aprile 2006

**29) p53FamTaG: a database of p53 family members direct target genes integrating in silico prediction and microarray data.**

Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, D'Elia D, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

Barcellona (Spagna), 5-6 Aprile 2006

**30) p53FamTaG : a database resource of human p53, p63 and p73 direct target genes combining in silico prediction and microarray data.**

Sbisà E, Catalano D, Grillo G, Licciulli F, Turi A, Liuni S, Pesole G, De Grassi A, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Tullo A, Saccone C, Gisel A.

3<sup>rd</sup> Consortium for Post Genome Science Conference, Manchester (UK), 22-24 March 2006

**31) The fatty acid synthase is a new p53 family target gene conserved from worm to human.**

D'Erchia A.M, Tullo A, Lefkimmatis K, Caratozzolo MF, Navarro B, Bazzicalupo P. Saccone C, Sbisà E.

7° Convegno annuale FISV, Riva del Garda (TN) (Italia), 22-25 Settembre 2005

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



**32) Connecting p63 to cell proliferation: the example of the Adenosine Deaminase target gene.**

Mastropasqua G, Lefkimmatis K, Caratozzolo MF, D'Erchia AM, Navarro B, Saccone C, Sbisà E, Tullo A.

7° Convegno annuale FISV, Riva del Garda (TN) (Italia), 22-25 Settembre 2005


**Partecipazione a congressi:**

- 1) CSSA 2016 Meeting "Cell Stress: Survival and Apoptosis", ABCD - Associazione di Biologia Cellulare e del Differenziamento, 9-10 Settembre 2016 Bari (Italia)
- 2) Innovation in Clinical Oncology: oncogenomics for diagnosis and treatment, 23-24 Giugno 2016, Bari (Italia)
- 3) 16th International p53 workshop, 15-19 Giugno 2014, Stoccolma (Svezia)
- 4) 9° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, 5-7 Giugno 2013, Pavia (Italia)
- 5) 12° Convegno annuale FISV, 24-27 Settembre 2012, Roma (Italia)
- 6) 8° congresso SIBBM (Società Italiana di Biofisica e Biologia Molecolare) – Frontiere in Biologia Molecolare, 24-26 Maggio 2012, Palermo (Italia)
- 7) Conferenza del Dipartimento Scienze della Vita “Il CNR e la Nuova Biologia, 11-12 Ottobre 2010, Roma (Italia)
- 8) BITS (VII Annual General Meeting of the Bioinformatics Italian Society) 2010, 14-16 Aprile 2010, Bari (Italia)
- 9) 10° Convegno annuale FISV, 24-27 Settembre 2008, Riva del Garda (Trento - Italia)
- 10) EPISTEM Ghent 2008 Conference 27-29 Febbraio 2008, Gent (Belgio)
- 11) 3° International p63/p73 Workshop – 18-21 Marzo 2007, Roma (Italia)
- 12) 48° Congresso Nazionale della Società Italiana di Cancerologia, 01-04 Ottobre 2006 Bari (Italia)
- 13) 8° Convegno Annuale FISV, 28 Settembre – 01 Ottobre 2006, Riva del Garda (Trento - Italia)
- 14) 2° Seminario Nazionale “Il Ciclo Cellulare–The Cell Cycle” – SIBBM, 08-10 Giugno 2006, Roma (Italia)
- 15) 2° Marie Curie Conference on Array-CGH and Molecular Cytogenetics, 20-22 Ottobre 2005, Bari (Italia)
- 16) 7° Convegno annuale FISV, 22-25 Settembre 2005, Riva del Garda (Trento - Italia)

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)




### **Partecipazione a corsi specializzati:**

- 1) Next Generation Sequencing: practical applications, Valenzano (Bari), 10 maggio 2016
- 2) “From nucleic acid to personalized medicine: Innovative approaches to early diagnosis and therapy of diseases at high social impact”- Verso la medicina personalizzata: Sviluppo di nuove molecole selettive per la cura del Neuroblastoma, Bari (Italia), 16 Novembre 2015
- 3) “Epigenetics, coding and non-coding RNAs – Challenging NGS data”, Bari (Italia), 25-26 Giugno 2014
- 4) BiP-Day (Prima Giornata della Bioinformatica Pugliese), Bari (Italia), 5-6 dicembre 2013
- 5) “Update su microbiota e microbioma intestinale” – Ente Ospedaliero specializzato in Gastroenterologia IRCCS “Saverio De Bellis”, Castellana Grotte – Bari (Italia), 10 Giugno 2013
- 6) “From nucleic acid to personalized medicine: Innovative approaches to early diagnosis and therapy of tumor diseases”, Bari (Italia), 14 Maggio 2013
- 7) “NGS and non-coding RNA Data Analysis” Workshop, Bari (Italia), 17-19 Aprile 2013
- 8) RNAseq Workshop, Torino (Italia), 26-28 Marzo 2013
- 9) Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2012), Bari (Italia), 5-7 Dicembre 2012
- 10) EPIGEN NGS & Data Analysis Workshop - Istituto di Genomica Applicata - Progetto Bandiera Epigenomica - Parco Scientifico e Tecnologico L. Danieli, Udine (Italia), 19-22 Giugno 2012
- 11) Workshop “EEC e alter sindromi associate a p63: Ricerca Scientifica, Diagnosi e Terapie a Confronto”, Napoli (Italia), 8 Giugno 2012
- 12) Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2011), Bari (Italia), 12-14 Ottobre 2011
- 13) 2° Incontro Utilizzatori Italiani 454 ROCHE Technology, Bari (Italia), 3-4 Marzo 2011
- 14) 3° Winter School Interdisciplinare “Il dialogo dei saperi” Specificità e complementarità tra scienza, tecnica e cultura, Politecnico di Bari (Italia), 1-3 Febbraio 2011
- 15) Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2010), Bari (Italia), 6-8 Ottobre 2010
- 16) Corso di formazione linea Citometria a Flusso, Bari (Italia), 11-12 Maggio 2010
- 17) Seminario “Next Generation Sequencing Technology Enables New applications”, Bari (Italia), 13 Aprile 2010

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



- 18) Next Generation Sequencing Workshop (NGS 2009), Bari (Italia), 16-18 Settembre 2009
- 19) Microscopia Confocale “Spinning Disk Andor”, tecniche di FRAP e foto attivazione, Bari (Italia), 13 Gennaio 2009
- 20) Nuovi approcci per lo studio di mutazioni e l’analisi di metilazione del DNA: High Resolution Melt e Pyrosequencing, Valenzano (Bari), 02 Luglio 2008
- 21) EMBRACE Workshop “Applied Gene Ontology”, Bari (Italia), 07-09 Novembre 2007
- 22) Training Course 2007 “Stem Cell Differentiation” 2° edizione, Napoli (Italia), 29 Maggio – 01 Giugno 2007
- 23) “Plexor™, un nuovo modo di vedere in Real Time”, Riva del Garda (Trento - Italia), 30 Settembre 2006
- 24) “Bioteconologie nell’analisi dell’espressione genica e in medicina molecolare”, Bari (Italia), 31 Maggio 2006
- 25) “The 2006 Gene Expression Seminar Series”, Foggia (Italia), 05 Aprile 2006
- 26) Corso di Microarray “Gene Expression Microarray course on AB1700 Applied Biosystems”, Bari (Italia), 27-29 Settembre 2005
- 27) “Nuove tecnologie e Sviluppo nell’analisi del proteoma”, Bari (Italia), 28 Giugno 2005
- 28) Corso di Real Time «Gene Expression Real Time course on ABI Prism 7900 Applied Biosystems», Bari (Italia), 18-19 Aprile 2005
- 29) «From whole genome to single gene – Gene Expression Profiling 2004», Bari (Italia), 08 Giugno 2004
- 30) Workshop sulla F.I.S.H. (Fluorescence In Situ Hybridization), Bari (Italia), 2003

**Soggiorno presso laboratori di ricerca esterni:**

- |                   |  |
|-------------------|--|
| 16-30 Agosto 2011 | Department of Surgery and Molecular Oncology”, CR-UK<br>Cell Transformation Research Group, Ninewells Hospital,<br>University of Dundee (Scotland, UK)<br>Responsabile scientifico: Prof. Jean Cristophe Bourdon |
| 5-9 Luglio 2010   | Laboratorio di Genetica della Facoltà di Scienze Biotechnologiche,<br>Università Federico II, Napoli<br>Responsabile scientifico: Prof.ssa Viola Calabrò   |

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



### **Partecipazione a procedure selettive per posizioni da Ricercatore**

Bando di selezione n. **364.98**

Data del bando **PROT. AMMCNT – CNR -Amministrazione Centrale N. 0089314 del 22/12/2009**

Provvedimento di nomina n. **0054583** data **21/07/2011**

Altre informazioni Area Scientifica F.1 Scienze Biologiche, Codice di Riferimento BA100/1 n.1 posto. Giudicato **IDONEO NON VINCITORE**, 5° in graduatoria

### **Attività scientifica e principali temi di ricerca:**

La mia attività di ricerca è iniziata nel 2004 nel gruppo del servizio di sequenziamento e analisi di frammenti di DNA (AFLP e Microsatelliti), sotto la responsabilità della dott.ssa Sbisà. Mi sono occupato di sequenziamento Sanger, utilizzando un sequenziatore a 16 capillari ABIPRISM3100 (Applied Biosystems) e di un sequenziatore a 1 capillare ABIPRISM310 (Applied Biosystems).

Successivamente, a partire da fine 2004, sono entrato a far parte, in qualità di dottorando di ricerca in Genetica ed Evoluzione Molecolare, del gruppo di ricerca che si occupa dello studio dell'oncosoppressore p53 e degli altri membri della famiglia genica ad esso correlati (p63 e p73), avendo come docente guida la Prof.ssa Cecilia Saccone e come tutor del progetto la Dott.ssa Apollonia Tullo.

L'obiettivo di ricerca è stato finalizzato allo studio dei meccanismi di controllo del ciclo cellulare, con particolare attenzione alla caratterizzazione molecolare dei membri della famiglia genica dell'oncosoppressore p53 (p53, p73 e p63).

Le tre proteine, che si esprimono in diverse isoforme, sono fattori di trascrizione, che modulano l'espressione di geni target attraverso il legame specifico a sequenze consensus (p53 responsive element, p53RE) contenute nelle regioni regolatorie dei geni target stessi.


In particolare le attività di ricerca, a cui ho partecipato e che sono state oggetto di pubblicazioni, possono essere così riassunte:

1. studio delle proteine p53, p63 e p73 come fattori di trascrizione e individuazione dei loro target specifici, attraverso studi in silico e di validazione sperimentale, applicando le principali metodologie di biologia molecolare e l'uso della tecnologia microarray. Tale studio ha portato alla costruzione di una banca dati, chiamata p53FamTAG, che raccoglie i dati relativi ai geni umani in cui è presente la sequenza consensus riconosciuta da p53, p63 e p73, e anche i dati di microarray ottenuti in seguito all'utilizzo di linee cellulari trasfettate stabilmente con i membri della famiglia genica (Sbisà E. et al. BMC Bioinformatics. **2007** Mar 8;8 Suppl 1:S20).  
Il database è disponibile online al sito: <http://p53famtag.ba.itb.cnr.it/>.
2. studio di p73 e p63 nella regolazione del ciclo cellulare (Sbisà E. et al., Cell Cycle. **2006** Jan;5(2); Mangiulli M. et al. Nucleic Acids Res. **2009** Oct;37(18); Lefkimmatis K. et al., Cancer Res. **2009** Nov 15;69(22)).

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



3. studio di nuovi interattori cellulari dei membri della famiglia genica di p53, coinvolti nella regolazione della stabilità di p53, p63 e p73 e nei vari meccanismi molecolari in cui tali proteine sono coinvolte (Caratozzolo M.F. et al., Cell Cycle. **2012** Feb 1;11(3)).
4. studio della regolazione dell'espressione di geni coinvolti nella trasduzione intracellulare dei segnali di crescita in bambini affetti da ritardo nello sviluppo, con particolare attenzione al ruolo svolto dai membri della famiglia genica di p53 nella regolazione trascrizionale del gene IGFBP3 (Faenza MF. et al., Growth Horm IGF Res. **2011** Dec;21(6); Marzano F. et al., Mol Biol Cell. **2015** Aug 1;26(15); Marzano F. et al., Pediatr Obes. 2018 Dec;13(12)).
5. studio del ruolo svolto da un nuovo target di p53, TRIM8, nell'attivazione della risposta cellulare p53-mediata ai farmaci chemioterapici, durante il trattamento del carcinoma renale a cellule chiare (ccRCC) (Caratozzolo MF, et al. Oncotarget. **2014** Sep 15;5(17)).

Al momento, sono impegnato nello studio del possibile coinvolgimento del network dei microRNA e di altri ncRNA sulla risposta cellulare TRIM8 e p53-mediata ai farmaci chemioterapici, nel trattamento di diversi tipi di tumori aggressivi e chemioresistenti, quali il carcinoma renale a cellule chiare (ccRCC) e il tumore del colon retto (CRC) (Mastropasqua F. et al., Molecular Cancer **2017** Mar 21;16(1)).

Durante i diversi anni di attività scientifica, ho avuto modo di acquisire competenze che riguardano lo studio e la manipolazione di molecole biologiche, quali DNA, RNA e proteine, e di applicare le principali metodiche di ingegneria genetica e di biologia molecolare e cellulare.

Negli ultimi anni, grazie alle competenze acquisite, mi sono occupato anche di sequenziamento massivo Next Generation Sequencing (NGS). In particolare, in seguito alla partecipazione a congressi e corsi specializzati, ho avuto la possibilità di approfondire gli aspetti teorico-pratici relativi alle chimiche alla base delle varie piattaforme di sequenziamento (Roche 454, Illumina e AB Solid).

Mi sono occupato della messa a punto di protocolli di estrazione del materiale da sequenziare, a partire da matrici eterogenee (colture cellulari, siero, PBMC, terreno, ecc.) per ottimizzare la qualità e le rese, della preparazione dei campioni, delle librerie di DNA e cDNA e del loro sequenziamento, utilizzando il sequenziatore 454 GS FLX Titanium Series (Roche), disponibile presso i laboratori dell'Istituto di Tecnologie Biomediche del CNR di Bari.

Tali attività sono state oggetto di pubblicazioni (Calabrese C. et al., Cancer Metab. **2013** Mar 18;1(1); Calabrese C. et al., BMC Genomics. **2013** Dec 5;14(1); Consiglio A et al., BMC Bioinformatics **2016** 17(Suppl 12)).

Ad oggi le attività di ricerca e i progetti di cui faccio parte possono essere così riassunti:

**1. Caratterizzazione del microbioma nella fisiopatologia dell'apparato digerente orientato allo studio del cancro del colon mediante analisi del trascrittoma.**

Lo studio prevede l'estrazione di acidi nucleici (RNA) da campioni raccolti dalla mucosa intestinale di topi ApcMin/+, i quali sviluppano spontaneamente polipi a livello intestinale, e dai corrispettivi normali, e preparazione di librerie meta-trascrittomiche rappresentative per il sequenziamento massivo, al fine di analizzare la flora batterica e studiarne eventuali cambiamenti in funzione dello sviluppo di polipi nell'intestino, durante la crescita dei topi.

Valutazione e caratterizzazione dei geni differenzialmente espressi tra la condizione patologica e i controlli sani, con validazione dei dati ottenuti, tramite qPCR.

Caratterizzazione e validazione sperimentale, tramite qPCR, dei livelli di espressione della porzione di microRNAs e ncRNAs.

Studio e successiva validazione funzionale delle correlazioni tra network dei non coding-RNAs e trascritti-target, plausibilmente coinvolte nell'insorgenza e progressione della patologia.

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)





**2. Caratterizzazione di agenti microbici coinvolti nell'insorgenza di patologie autoimmuni mediante analisi su larga scala del trascrittoma.**

Lo studio prevede l'estrazione di acidi nucleici (RNA) dal sangue periferico di 8 coppie di gemelli discordanti per sclerosi multipla (MS) da cui è stato prelevato il sangue periferico (3 coppie di gemelli dizigoti (DZ) e 5 coppie di gemelli monozigoti (MZ), e preparazione di librerie meta- trascrittomiche rappresentative per il sequenziamento massivo.

Valutazione e caratterizzazione dei geni differenzialmente espressi tra la condizione patologica e i controlli sani, con validazione dei dati ottenuti, tramite qPCR.

Caratterizzazione e validazione sperimentale, tramite qPCR, dei livelli di espressione della porzione di microRNAs e ncRNAs.

Studio e successiva validazione funzionale delle correlazioni tra network dei non coding-RNAs e trascritti-target, plausibilmente coinvolte nell'insorgenza e progressione della patologia.

Nel corso della mia attività di ricerca, ho avuto la possibilità di portare avanti diverse collaborazioni con altri gruppi di ricerca, che mi hanno permesso, e mi permettono tuttora, di approfondire altri interessanti aspetti della fisiopatologia cellulare (Gerbino A. et al., Gastroenterology. **2009** Sep;137(3); Valenti D. et al., Biochem J. **2010** Sep 28;431(2); Vieux-Rochas M. et al., PLoS One. **2013** 8(1); Bartoletti-Stella A. et al., Cell Death Dis. **2013** Jun 13;4:e663).

Bari, 24-07-2020

In fede,

Dott. Caratozzolo Mariano Francesco



N.B.

**1. Trattamento dei dati personali.**

Ai sensi del D.Lgs 30/6/2003 n. 196 i dati personali forniti dal dichiarante sono trattati esclusivamente ai fini del presente procedimento. L'interessato gode dei diritti di cui al D.Lgs citato, che può far valere nei confronti del CNR.

**2. La normativa sulle dichiarazioni sostitutive si applica ai cittadini italiani e dell'Unione Europea.**

I cittadini di Stati non appartenenti all'Unione, regolarmente soggiornanti in Italia, possono utilizzare le dichiarazioni sostitutive di cui agli artt. 46 e 47 del D.P.R. 445 del 28.12.2000 limitatamente agli stati, alla qualità personali e ai fatti certificabili o attestabili da parte di soggetti pubblici italiani, fatte salve le speciali disposizioni contenute nelle leggi e nei regolamenti concernenti la disciplina dell'immigrazione e la condizione dello straniero.

Al di fuori dei casi sopradetti, i cittadini di Stati non appartenenti all'Unione autorizzati a soggiornare nel territorio dello Stato possono utilizzare le dichiarazioni sostitutive nei casi in

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)



cui la produzione delle stesse avvenga in applicazione di convenzioni internazionali fra l'Italia e il Paese di provenienza del dichiarante.

Il CNR si riserva di effettuare il controllo ai sensi dell'art. 71 e per gli effetti degli artt. 75 e 76 del D.P.R. 445 del 28/12/2000, sulla veridicità delle dichiarazioni sostitutive sottoscritte e prodotte dagli interessati.

Bari, 24-07-2020

FIRMA

(Dott. Caratozzolo Mariano Francesco)

A thick black horizontal bar redacting the signature of the official.



UNIONE EUROPEA  
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale  
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



Al Direttore della Stazione Appaltante  
Dott. Daniela Corda  
c/o CNR Dipartimento di Scienze  
Biomediche – P.le Aldo Moro  
00185 ROMA

Al RUP  
Dr. Nicola Montemurro

Oggetto: DICHIARAZIONE DI ACCETTAZIONE DELL'INCARICO E DI ASSENZA DI CAUSE DI INCOMPATIBILITÀ E DI ASTENSIONE, PER LA NOMINA A COMPONENTE DELLA COMMISSIONE GIUDICATRICE PER LA GARA A PROCEDURA APERTA SOPRA SOGLIA PER L'AFFIDAMENTO DELLA FORNITURA GARA SOPRA SOGLIA COMUNITARIA MEDIANTE PROCEDURA TELEMATICA APERTA ART. 60 DEL D.LGS. 50/2016 E S.M.I., PER LA FORNITURA DI **PIATTAFORME DI GENOMICA, PROTEOMICA E METABOLOMICA** - CPV 38430000-8 APPARECCHI PER ANALISI E RIVELAZIONE - DA CONSEGNARE (E INSTALLARE) NELL'AMBITO DEL PROGETTO **PON R&I 2014-2020 PIR01\_00017 CNRBIOMICS** - CENTRO NAZIONALE DI RICERCA IN BIOINFORMATICA PER LE SCIENZE "OMICHE", CUP B58D19000010005, DI CUI ALL'AVVISO N. 424/2018 AZIONE II.1, SUDDIVISA IN NOVE LOTTI FUNZIONALI.

**LOTTO 1** Sistema per mappatura fisica dei genomi ad altissima risoluzione (BioNano Genomics o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_218055, CIG 8329824438;  
**LOTTO 2** Sistema robotizzato per l'automazione del processo di preparazione delle librerie NGS (Liquid Handler) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_210401, CIG 83298433E6;  
**LOTTO 3** Piattaforma di sequenziamento ad elevata processività (Illumina NovaSeq o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_211411, CIG 8329870A2C;  
**LOTTO 5** Sistema UHPLC-MS ad alta risoluzione (Orbitrap Fusion o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_219648, CIG 8329916025;  
**LOTTO 6** Piattaforma di sequenziamento di lunghe molecole di acidi nucleici (PacBio Sequel o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_205093, CIG 8329932D55;  
**LOTTO 7** Piattaforma di Real-Time PCR (QuantStudio 12K Flex System o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_219040, CIG 83299468E4;  
**LOTTO 8** Sistema di sequenziamento Sanger (SeqStudio Genetic Analyzer o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01\_00017\_216512, CIG 83299571FA;

**CNR.BiOmics**

BIG DATA FOR BETTER LIFE



CNR Dipartimento di Scienze Biomediche - Piazzale Aldo Moro 7, 00185 Roma



UNIONE EUROPEA  
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale  
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



## DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DELL'ATTO DI NOTORIETA'

(art. 47 D.P.R. 28 dicembre 2000, n. 445)

Il sottoscritto CARATOZZOLO MARIANO FRANCESCO, nato a CONVERSANO (BA) il 23/03/1979, con riferimento alla gara di cui in oggetto ed a seguito della comunicazione inviata dal RUP contenente l'intenzione di codesta Direzione di procedere alla nomina quale componente della Commissione giudicatrice, consapevole della responsabilità e delle conseguenze civili e penali previste in casi di rilascio di dichiarazioni mendaci e/o formazione di atti falsi e/o uso degli stessi, ai sensi e per gli effetti dell'art. 76 del D.P.R. n. 445/2000,

### DICHIARA

- 1) Di accettare l'incarico di cui trattasi;
- 2) Di uniformarsi ai principi contenuti nel "Codice di comportamento dei dipendenti delle Pubbliche Amministrazioni" (di cui D.P.R. 16/4/2013, n. 62 - pubblicato nella Gazzetta Ufficiale 4 giugno 2013, n. 129, in vigore dal 19 giugno 2013) nonché nel vigente "Codice di comportamento dei dipendenti CNR ai sensi dell'art. 54, comma 5, D. Lgs. 165/2001;
- 3) Di prendere atto che hanno presentato offerta i sottoelencati operatori economici:
  - BIOSENSE SRL, AURELIO SAFFI, CAP 20123 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 11928920153.
  - HAMILTON ITALIA SRL, VIA PARACELSO, 22 CAP 20864 AGRATE BRIANZA Codice fiscale/PARTITA IVA 06397950962
  - TECAN Italia srl, Via Brescia, 39, CAP 20063, Cernusco sul Naviglio MI, Codice fiscale 09615590156/PARTITA IVA 02750460962.
  - ILLUMINA ITALY s.r.l., Via Senigallia, 21 cap 20161 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 06814140965
  - PACIFIC BIOSCIENCES OF CALIFORNIA, Inc., Menlo Park, California, 1305 O'Brien Drive, 94025, Tax Codice 16-1590339.
  - LIFE TECHNOLOGIES ITALIA FIL. LIFE TECHNOLOGIES EUROPE B.V. , Via Pisani, 20 CAP 20124 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 12792100153.
  - THERMO FISHER SCIENTIFIC S.p.A, Strada Rivoltana KM 4, SNC, CAP 20053, Rodano (MI) Codice fiscale/PARTITA IVA 07817950152

**CNR.BiOmics**  
BIG DATA FOR BETTER LIFE





UNIONE EUROPEA  
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale  
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



- 4) L'assenza<sup>1</sup> di conflitto di interesse di cui all'art. 42 comma 2 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;
- 5) L'assenza<sup>1</sup> delle cause di incompatibilità e di astensione di cui all'art. 77, commi 4, 5 e 6 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

Allega alla presente il proprio *curriculum vitae* nonché copia di un documento di identità in corso di validità, nel caso di sottoscrizione con firma autografa.

Luogo e data

BARI, 27-07-2020

Firma

<sup>1</sup>

**Art. 42, comma 2 (Conflitto di interesse)** Si ha conflitto d'interesse quando il personale di una stazione appaltante o di un prestatore di servizi che, anche per conto della stazione appaltante, interviene nello svolgimento della procedura di aggiudicazione degli appalti e delle concessioni o può influenzarne, in qualsiasi modo, il risultato, ha, direttamente o indirettamente, un interesse finanziario, economico o altro interesse personale che può essere percepito come una minaccia alla sua imparzialità e indipendenza nel contesto della procedura di appalto o di concessione. In particolare, costituiscono situazione di conflitto di interesse quelle che determinano l'obbligo di astensione previste dall'art. 7 del DPR 16 aprile 2013, n° 62.

**Art. 77, commi 4, 5 e 6 (Commissione giudicatrice)** 4 - I commissari non devono aver svolto né possono svolgere alcun'altra funzione o incarico tecnico o amministrativo relativamente al contratto del cui affidamento si tratta. La nomina del RUP a membro delle commissioni di gara è valutata con riferimento alla singola procedura. 5 - Coloro che, nel biennio antecedente all'indizione della procedura di aggiudicazione, hanno ricoperto cariche di pubblico amministratore, non possono essere nominati commissari giudicatori relativamente ai contratti affidati dalle Amministrazioni presso le quali hanno esercitato le proprie funzioni d'istituto. 6 - Si applicano ai commissari e ai segretari delle commissioni l'articolo 35-bis del D.LGS. 30 marzo 2001, n. 165, l'articolo 51 del C.P.C., nonché l'articolo 42 del D.LGS. 50/2016 e s.m.i. Sono altresì esclusi da successivi incarichi di commissario coloro che, in qualità di membri delle commissioni giudicatrici, abbiano concorso, con dolo o colpa grave accertati in sede giurisdizionale con sentenza non sospesa, all'approvazione di atti dichiarati illegittimi.

**Art. 7, DPR 62/2013 (Obbligo di astensione)** Il dipendente si astiene dal partecipare all'adozione di decisioni o ad attività che possano coinvolgere interessi propri, ovvero di suoi parenti, affini entro il secondo grado, del coniuge o di conviventi, oppure di persone con le quali abbia rapporti di frequentazione abituale, ovvero, di soggetti od organizzazioni con cui egli o il coniuge abbia causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito significativi, ovvero di soggetti od organizzazioni di cui sia tutore, curatore, procuratore o agente, ovvero di enti, associazioni anche non riconosciute, comitati, società o stabilimenti di cui sia amministratore o gerente o dirigente. Il dipendente si astiene in ogni altro caso in cui esistano gravi ragioni di convenienza.

**Art. 35-bis, D.LGS. 165/2001 (Prevenzione del fenomeno della corruzione nella formazione di commissioni e nelle assegnazioni agli uffici)** 1. Coloro che sono stati condannati, anche con sentenza non passata in giudicato, per i reati previsti nel capo I del titolo II del libro secondo del codice penale: a) non possono fare parte, anche con compiti di segreteria, di commissioni per l'accesso o la selezione a pubblici impieghi; b) non possono essere assegnati, anche con funzioni direttive, agli uffici preposti alla gestione delle risorse finanziarie, all'acquisizione di beni, servizi e forniture, nonché alla concessione o all'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari o attribuzioni di vantaggi economici a soggetti pubblici e privati; c) non possono fare parte delle commissioni per la scelta del contraente per l'affidamento di lavori, forniture e servizi, per la concessione o l'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari, nonché per l'attribuzione di vantaggi economici di qualunque genere.

**Art. 51 C.P.C. (Astensione del giudice)** Il giudice ha l'obbligo di astenersi: 1) se ha interesse nella causa o in altra vertente su identica questione di diritto; 2) se egli stesso o la moglie è parente fino al quarto grado o legato da vincoli di affiliazione, o è convivente o commensale abituale di una delle parti o di alcuno dei difensori; 3) se egli stesso o la moglie ha causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito con una delle parti o alcuno dei suoi difensori; 4) se ha dato consiglio o prestato patrocinio nella causa, o ha deposto in essa come testimone, oppure ne ha conosciuto come magistrato in altro grado del processo o come arbitro o vi ha prestato assistenza come consulente tecnico; 5) se è tutore, curatore, amministratore di sostegno, procuratore, agente o datore di lavoro di una delle parti; se, inoltre, è amministratore o gerente di un ente, di un'associazione anche non riconosciuta, di un comitato, di una società o stabilimento che ha interesse nella causa. In ogni altro caso in cui esistono gravi ragioni di convenienza, il giudice può richiedere al capo dell'ufficio l'autorizzazione ad astenersi; quando l'astensione riguarda il capo dell'ufficio, l'autorizzazione è chiesta al capo dell'ufficio superiore.

**CNR.BiOmics**  
BIG DATA FOR BETTER LIFE



CNR Dipartimento di Scienze Biomediche - Piazzale Aldo Moro 7, 00185 Roma