



UNIONE EUROPEA
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



Al Direttore della Stazione Appaltante
Dott. Daniela Corda
c/o CNR Dipartimento di Scienze
Biomediche – P.le Aldo Moro
00185 ROMA

Al RUP
Dr. Nicola Montemurro

Oggetto: DICHIARAZIONE DI ACCETTAZIONE DELL'INCARICO E DI ASSENZA DI CAUSE DI INCOMPATIBILITÀ E DI ASTENSIONE PER LA NOMINA A COMPONENTE DELLA COMMISSIONE GIUDICATRICE PER LA GARA A PROCEDURA APERTA SOPRA SOGLIA PER L'AFFIDAMENTO DELLA FORNITURA GARA SOPRA SOGLIA COMUNITARIA MEDIANTE PROCEDURA TELEMATICA APERTA ART. 60 DEL D.LGS. 50/2016 E S.M.I., PER LA FORNITURA DI **PIATTAFORME DI GENOMICA, PROTEOMICA E METABOLOMICA** - CPV 38430000-8 APPARECCHI PER ANALISI E RIVELAZIONE - DA CONSEGNARE (E INSTALLARE) NELL'AMBITO DEL PROGETTO **PON R&I 2014-2020 PIR01_00017 CNRBIOMICS** - CENTRO NAZIONALE DI RICERCA IN BIOINFORMATICA PER LE SCIENZE "OMICHE", CUP B58D19000010005, DI CUI ALL'AVVISO N. 424/2018 AZIONE II.1, SUDDIVISA IN NOVE LOTTI FUNZIONALI.

LOTTO 1 Sistema per mappatura fisica dei genomi ad altissima risoluzione (BioNano Genomics o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_218055, CIG 8329824438;
LOTTO 2 Sistema robotizzato per l'automazione del processo di preparazione delle librerie NGS (Liquid Handler) - Codice univoco del bene PIR01_00017_210401, CIG 83298433E6;
LOTTO 3 Piattaforma di sequenziamento ad elevata processività (Illumina NovaSeq o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_211411, CIG 8329870A2C;
LOTTO 5 Sistema UHPLC-MS ad alta risoluzione (Orbitrap Fusion o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_219648, CIG 8329916025;
LOTTO 6 Piattaforma di sequenziamento di lunghe molecole di acidi nucleici (PacBio Sequel o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_205093, CIG 8329932D55;
LOTTO 7 Piattaforma di Real-Time PCR (QuantStudio 12K Flex System o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_219040, CIG 83299468E4;
LOTTO 8 Sistema di sequenziamento Sanger (SeqStudio Genetic Analyzer o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_216512, CIG 83299571FA;





UNIONE EUROPEA
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DELL'ATTO DI NOTORIETA'

(art. 47 D.P.R. 28 dicembre 2000, n. 445)

Il sottoscritto Bachir BALECH, nato a Zahle (Libano) il 26/06/1981, con riferimento alla gara di cui in oggetto ed a seguito della comunicazione inviata dal RUP contenente l'intenzione di codesta Direzione di procedere alla nomina quale componente della Commissione giudicatrice, consapevole della responsabilità e delle conseguenze civili e penali previste in casi di rilascio di dichiarazioni mendaci e/o formazione di atti falsi e/o uso degli stessi, ai sensi e per gli effetti dell'art. 76 del D.P.R. n. 445/2000,

DICHIARA

- 1) Di accettare l'incarico di cui trattasi;
- 2) Di uniformarsi ai principi contenuti nel "Codice di comportamento dei dipendenti delle Pubbliche Amministrazioni" (di cui D.P.R. 16/4/2013, n. 62 - pubblicato nella Gazzetta Ufficiale 4 giugno 2013, n. 129, in vigore dal 19 giugno 2013) nonché nel vigente "Codice di comportamento dei dipendenti CNR ai sensi dell'art. 54, comma 5, D. Lgs. 165/2001;
- 3) Di prendere atto che hanno presentato offerta i sottoelencati operatori economici:
 - BIOSENSE SRL, AURELIO SAFFI, CAP 20123 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 11928920153.
 - HAMILTON ITALIA SRL, VIA PARACELSO, 22 CAP 20864 AGRATE BRIANZA Codice fiscale/PARTITA IVA 06397950962
 - TECAN Italia srl, Via Brescia, 39, CAP 20063, Cernusco sul Naviglio MI, Codice fiscale 09615590156/PARTITA IVA 02750460962.
 - ILLUMINA ITALY s.r.l., Via Senigallia, 21 cap 20161 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 06814140965
 - PACIFIC BIOSCIENCES OF CALIFORNIA, Inc., Menlo Park, California, 1305 O'Brien Drive, 94025, Tax Codice 16-1590339.
 - LIFE TECHNOLOGIES ITALIA FIL. LIFE TECHNOLOGIES EUROPE B.V. , Via Pisani, 20 CAP 20124 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 12792100153.
 - THERMO FISHER SCIENTIFIC S.p.A, Strada Rivoltana KM 4, SNC, CAP 20053, Rodano (MI) Codice fiscale/PARTITA IVA 07817950152
- 4) L'assenza¹ di conflitto di interesse di cui all'art. 42 comma 2 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

¹ **Art. 42, comma 2 (Conflitto di interesse)** Si ha conflitto d'interesse quando il personale di una stazione appaltante o di un prestatore di servizi che, anche per conto della stazione appaltante, interviene nello svolgimento della procedura di aggiudicazione degli appalti e delle concessioni o può influenzarne, in qualsiasi modo, il risultato, ha, direttamente o indirettamente, un interesse finanziario, economico o altro interesse personale che può essere percepito come una minaccia alla sua imparzialità e indipendenza nel contesto della procedura di appalto o di concessione. In particolare, costituiscono situazione di conflitto di interesse quelle che determinano l'obbligo di astensione previste dall'art. 7 del DPR 16 aprile 2013, n° 62.

Art. 77, commi 4, 5 e 6 (Commissione giudicatrice) 4 - I commissari non devono aver svolto né possono svolgere alcun'altra funzione o incarico tecnico o amministrativo relativamente al contratto del cui affidamento si tratta. La nomina del RUP a membro delle commissioni di gara è valutata con riferimento alla singola procedura. 5 - Coloro che, nel biennio antecedente all'indizione della procedura di aggiudicazione, hanno ricoperto cariche di pubblico amministratore, non possono essere nominati commissari giudicatori relativamente ai contratti affidati dalle Amministrazioni presso le quali hanno esercitato le proprie funzioni d'istituto. 6 - Si applicano ai commissari e ai segretari delle commissioni l'articolo 35-bis del D.LGS. 30 marzo 2001, n. 165, l'articolo 51 del C.P.C., nonché





UNIONE EUROPEA
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



- 5) L'assenza¹ delle cause di incompatibilità e di astensione di cui all'art. 77, commi 4, 5 e 6 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

Allega alla presente il proprio *curriculum vitae* nonché copia di un documento di identità in corso di validità, nel caso di sottoscrizione con firma autografa.

Luogo e data

Bari, 24/07/2020

Firma

l'articolo 42 del D.LGS. 50/2016 e s.m.i. Sono altresì esclusi da successivi incarichi di commissario coloro che, in qualità di membri delle commissioni giudicatrici, abbiano concorso, con dolo o colpa grave accertati in sede giurisdizionale con sentenza non sospesa, all'approvazione di atti dichiarati illegittimi.

Art. 7, DPR 62/2013 (Obbligo di astensione) Il dipendente si astiene dal partecipare all'adozione di decisioni o ad attività che possano coinvolgere interessi propri, ovvero di suoi parenti, affini entro il secondo grado, del coniuge o di conviventi, oppure di persone con le quali abbia rapporti di frequentazione abituale, ovvero, di soggetti od organizzazioni con cui egli o il coniuge abbia causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito significativi, ovvero di soggetti od organizzazioni di cui sia tutore, curatore, procuratore o agente, ovvero di enti, associazioni anche non riconosciute, comitati, società o stabilimenti di cui sia amministratore o gerente o dirigente. Il dipendente si astiene in ogni altro caso in cui esistano gravi ragioni di convenienza.

Art. 35-bis, D.LGS. 165/2001 (Prevenzione del fenomeno della corruzione nella formazione di commissioni e nelle assegnazioni agli uffici) 1. Coloro che sono stati condannati, anche con sentenza non passata in giudicato, per i reati previsti nel capo I del titolo II del libro secondo del codice penale: a) non possono fare parte, anche con compiti di segreteria, di commissioni per l'accesso o la selezione a pubblici impieghi; b) non possono essere assegnati, anche con funzioni direttive, agli uffici preposti alla gestione delle risorse finanziarie, all'acquisizione di beni, servizi e forniture, nonché alla concessione o all'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari o attribuzioni di vantaggi economici a soggetti pubblici e privati; c) non possono fare parte delle commissioni per la scelta del contraente per l'affidamento di lavori, forniture e servizi, per la concessione o l'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari, nonché per l'attribuzione di vantaggi economici di qualunque genere.

Art. 51 C.P.C. (Astensione del giudice) Il giudice ha l'obbligo di astenersi: 1) se ha interesse nella causa o in altra vertente su identica questione di diritto; 2) se egli stesso o la moglie è parente fino al quarto grado o legato da vincoli di affiliazione, o è convivente o commensale abituale di una delle parti o di alcuno dei difensori; 3) se egli stesso o la moglie ha causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito con una delle parti o alcuno dei suoi difensori; 4) se ha dato consiglio o prestato patrocinio nella causa, o ha deposto in essa come testimone, oppure ne ha conosciuto come magistrato in altro grado del processo o come arbitro o vi ha prestato assistenza come consulente tecnico; 5) se è tutore, curatore, amministratore di sostegno, procuratore, agente o datore di lavoro di una delle parti; se, inoltre, è amministratore o gerente di un ente, di un'associazione anche non riconosciuta, di un comitato, di una società o stabilimento che ha interesse nella causa. In ogni altro caso in cui esistono gravi ragioni di convenienza, il giudice può richiedere al capo dell'ufficio l'autorizzazione ad astenersi; quando l'astensione riguarda il capo dell'ufficio, l'autorizzazione è chiesta al capo dell'ufficio superiore.

CNR.BiOmics
BIG DATA FOR BETTER LIFE



CNR Dipartimento di Scienze Biomediche - Piazzale Aldo Moro 7, 00185 Roma

Curriculum Vitae et Studiorum

Dr. Bachir Balech

Nome: **BACHIR**

Cognome: **BALECH**

Nato a [REDACTED]

Nazionalità: Libanese

E-mail: [REDACTED]

PRESENTAZIONE

Laurea in Scienze Agrarie, Master of Science in Integrated Pest Management of Mediterranean Fruit Tree Crops, Dottorato di Ricerca in “Genetica ed Evoluzione Molecolare”, si è specializzato nello sviluppo di sistemi Bioinformatici per lo studio della Genomica, Trascrittomica, Biodiversità Molecolare, Filogenesi e Fitopatologia molecolare. Dal 2013 insegnante volontario a breve termine, presso l’università di Gothenburg, del corso riguardante le analisi bioinformatiche di data di DNA metabarcoding. Ha condotto ricerca nell’ambito del progetto BioVeL (FP7), LifeWatch (FP7), DICLIMAX (progetto regionale), ENPADASI (H2020), EPIGEN (progetto bandiera), Globis-B (H2020), ELIXIR (H2020) e un progetto bilaterale (Italia-Libano) presso l’Istituto di Biomembrane e Bioenergetica (IBBE, adesso IBIOM) del CNR. Ha stretto collaborazione con diversi enti di ricerca italiane e straniere come ad esempio l’Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB) del CNR, l’Istituto Agronomico Mediterraneo di Bari (IAMB), l’università di Banjaluka in Bosnia e l’istituto di ricerca agronomico Libanese (LARI). La sua attività di ricerca ha riguardato principalmente lo sviluppo di workflow Bioinformatici per lo studio della biodiversità molecolare (assegnazione tassonomica, retrieval di dati e il calcolo degli indici di diversità filogenetici) di dati del tipo metabarcoding provenienti da sequenziamento Next Generation Sequencing (NGS). Inoltre, ha condotto ricerche per il disegno e l’implementazione di un modello statistico per la predizione degli eventi di editing del RNA, la valutazione degli algoritmi di variant-calling in ambito genomico e la caratterizzazione molecolare di diversi organismi fitopatogeni appartenenti ai funghi, virus e fitoplasmi attraverso studi filogenetici. Da Settembre 2008 fino a Febbraio 2011, in veste di titolare di un contratto di ricerca nell’ambito del progetto finanziato MIUR-IBM Italia “Formazione avanzata di ricercatori esperti in Bioinformatica per lo studio della biodiversità molecolare”, ha contribuito alle seguenti attività: disegno e validazione di workflow bioinformatici per lo studio della biodiversità, analisi filogenetica e correlazione con la provenienza geografica del complesso virale coinvolto nella malattia dell’ accartoccamento fogliare della vite, creazione di una banca dati strutturata virale e l’identificazione di bio-marcatori adatti alla tracciabilità molecolare del vino.

FORMAZIONE

23 Marzo 2012

CONSEGUIMENTO DEL TITOLO DI DOTTORE DI RICERCA IN GENETICA ED EVOLUZIONE MOLECOLARE (XXIV Ciclo).

Dipartimento di Genetica e Microbiologia (adesso dipartimento di Biologia), Università degli Studi di Bari Aldo Moro.

Titolo della tesi: “*Metazoan Biodiversity Monitoring in Chestnut Soil: Coupling DNA Barcode approach with 454 Pyrosequencing Technology*”.

Durata del corso: 3 anni, dal 02/01/2009 al 31/12/2011.

Tutor: Prof. Cecilia Saccone, Dott.ssa Anna Maria D’Erchia.

Coordinatore: Prof. Mariano Rocchi.

01 Marzo 2011

MASTER PROFESSIONALE DAL TITOLO: FORMAZIONE AVANZATA DI RICERCATORI ESPERTI DI BIOINFORMATICA PER LO STUDIO DELLA BIODIVERSITÀ MOLECOLARE. Università degli Studi Guglielmo Marconi e IBM Italia S.p.a.

Attività di ricerca: Sviluppo di metodi e workflow bioinformatici per gli

studi di genomica e DNA barcoding e progettazione della strutturazione delle banche dati biologiche.

Durata del corso: 2 anni e 6 mesi, dal 01/09/2008 al 28/02/2011.

Referenti: Dott. Pietro Leo, Dott. Gaetano Scioscia, Dott.ssa Antonella Vaccina

16 Ottobre 2008

MASTER OF SCIENCE IN INTEGRATED PEST MANAGEMENT OF MEDITERRANEAN FRUIT TREE CROPS. Certificato n. N. IPM2/00134

Istituto Agronomico Mediterraneo di Bari (IAMB)

Titolo della tesi: *“An Integrated Molecular and Morphological Study to Design a DNA Barcode Discrimination Protocol for Fusarium species Involved in Dry Root Disease of Citrus”*

Durata del corso: 2 anni accademici 2006 al 2008.

Tutor: Prof. Cecilia Saccone, Dott.ssa AnnaMaria D’Onghia.

16 Settembre 2004

DIPLOMA DI LAUREA IN SCIENZE AGRARIE, SPECIALITA’ PROTEZIONE DELLE COLTURE. Dichiarazione n. 2/2009, Certificato n. 160/2004/U.

Università Libanese, Università di stato, Facoltà di Scienze Agrarie.

Durata del corso: 5 anni accademici 1999 al 2004.

Titolo della tesi: *“A Survey Of Almond Viruses In Lebanon With Observations Of Other Major Problems”* - Votazione conseguita 90/100

Tutor: Prof. Elia Choueiri

01 Ottobre 1999

DIPLOMA DI SCUOLA SUPERIORE GENERALE, INDIRIZZO MATEMATICA

Ministero dell’educazione e dell’Insegnamento Superiore della Repubblica Libanese

Votazione: 150/260

ESPERIENZE PROFESSIONALI

30 Settembre 2020 – presente

RICERCATORE Livello III a tempo INDETERMINATO presso l’Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR)

01 Ottobre 2018 – 29 Settembre 2019

ASSEGNO DI RICERCA nell’ambito del PROGETTO LIFEWATCH previsto nella roadmap ESFRI CUP B52F15000670005, per Sviluppo di strumenti bioinformatici innovativi per lo studio della biodiversità molecolare: pipeline, banche dati e ontologie per analisi di DNA barcoding, di metagenomica e di diversità filogenetica.

presso l’Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0001759

Referente: Prof. Graziano Pesole

01 Ottobre 2017 – 30 Settembre 2018

ASSEGNO DI RICERCA nell’ambito del PROGETTO LIFEWATCH previsto nella roadmap ESFRI CUP B52F15000670005, per Sviluppo di strumenti bioinformatici innovativi per lo studio della biodiversità molecolare: pipeline, banche dati e ontologie per analisi di DNA barcoding, di metagenomica e di diversità filogenetica.

presso l’Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie

Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0001729

Referente: Prof. Graziano Pesole

31 Maggio 2016 – 30 Settembre 2017

Contratto di prestazione d'opera in regime di COLLABORAZIONE COORDINATA E CONTINUATIVA nell'ambito del PROGETTO "DICLIMAX" cod. MTJU9H8, per lo sviluppo e ottimizzazione di software e strumenti di analisi di dati del tipo Next Generation Sequencing al fine di individuare l'algoritmo ottimale per le analisi di variant calling.

presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0000571

Referente: Prof. Graziano Pesole

02 Maggio 2015 – 30 Aprile 2016

ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del PROGETTO Bandiera EPIGENOMICA, per lo sviluppo di metodologie bioinformatiche per lo studio della allele-specificità dell'espressione genica utilizzando script sviluppati *ad-hoc* in grado di predire eventi di polimorfismi del DNA e editing del RNA.

presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0000947

Referente: Prof. Graziano Pesole

23 Aprile 2014 – 22 Aprile 2015

ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del PROGETTO BioVeL "BIODIVERSITY VIRTUAL E-LABORATORY", GRANT AGREEMENT 283359 FP7-INFRASTRUCTURES-2011-12, per la messa a punto di un sistema di interrogazione ed estrazione di dati di acidi nucleici e proteine e i loro metadati associati da banche dati biologiche primarie e specializzate.

presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0000593

Referente: Prof. Graziano Pesole

23 Aprile 2013 – 22 Aprile 2014

ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del PROGETTO BioVeL "BIODIVERSITY VIRTUAL E-LABORATORY", GRANT AGREEMENT 283359 FP7-INFRASTRUCTURES-2011-12, per la messa a punto e l'implementazione di un nuovo metodo di multialineamento del DNA di sequenze codificanti per domini proteici singoli e/o multipli.

presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0000635

Referente: Prof. Graziano Pesole

23 Aprile 2012 – 22 Aprile 2013

ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del PROGETTO BioVeL "BIODIVERSITY VIRTUAL E-LABORATORY", GRANT

AGREEMENT 283359 FP7-INFRASTRUCTURES-2011-12, per la messa a punto di un protocollo bioinformatico standard per l'assegnazione tassonomica di dati proveniente da tecnologie di sequenziamento di seconda generazione (NGS) basato sull'inferenza filogenetica e di un metodo di analisi per lo studio dei profili tassonomici della biodiversità basati su indici di diversità filogenetica derivati da sequenziamenti ambientali.

presso l'Istituto di Biomembrane, Bioenergetica e Biotecnologie Molecolari del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IBIOM-CNR, ex.IBBE)

Protocollo N. 0000514

Referente: Prof. Graziano Pesole

1 Settembre 2008 –
28 Febbraio 2011

CONTRATTO DI RICERCA E FORMAZIONE nell'ambito del PROGETTO LAB. 8 “LABORATORIO DI BIOINFORMATICA PER LO STUDIO DELLA BIODIVERSITÀ MOLECOLARE”

Borsista per attività di studio e ricerca per la durata di 30 mesi nell'ambito del progetto MBLAB finanziato dal MIUR, assegnato alla IBM Italia S.p.a. ed alla Università degli Studi Guglielmo Marconi.

Referenti: Dott. Pietro Leo, Dott. Giovanni Sgalambro.

Info: <http://www.mblabproject.it>; <http://www.ba.itb.cnr.it>

24 Febbraio 2010-
24 Febbraio 2011

COLLABORAZIONE con l'Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB) del Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), sede di Bari, nell'ambito del progetto MBLAB, per l'attività di ricerca “Biodiversità Molecolare del Suolo” attraverso saggi di real-time PCR.

Responsabile di sede: Dott. Sabino Liuni.

Info: <http://www.mblabproject.it>; <http://www.ba.itb.cnr.it>

13 Marzo – 10 Dicembre 2006

CONTRATTO LAVORATIVO A TEMPO INDETERMINATO in qualità di ESPERTO nella selezione di nuove varietà coltivate ed all'uso adatto dei fertilizzanti e dei pesticidi nelle pratiche agricole.

Unifert SAL; P.O.Box 11-6937 Riad El Solh Beirut 1107 2230, Libano

Info: <http://www.unifert.com/>

01 Aprile – 30 Settembre 2005

ASSEGNO DI RICERCA nell'ambito del Progetto WatNitMED “Water Use Efficiency and Nitrogen Use Efficiency of Mediterranean Strategic Crops: Wheat and Barley”

Istituto di Ricerca Agronomico Libanese (IRAL) – Tal Amara-Rayak, Libano

Referente: Prof. Fadi Karam.

Info: <http://www.lari.gov.lb>

23 Settembre 2004 – 31 Marzo 2005

CONTRATTO LAVORATIVO nell'ambito del progetto EXPORT PLUS in qualità di **ISPETTORE PER IL CONTROLLO DI QUALITÀ** dei prodotti agricoli destinati all'esportazione

BUREAU VERITAS LIBAN, Dedeyan Center – Dora, Beirut, Lebanon, P. O. Box 901177

Info: <http://www.bureauveritas.com/>

PROGETTI IN CORSO

- **LifeWatch-ERIC**
- **ELIXIR**
- **IDF-SHARID**
- **EOSC-Pillar**
- **EOSC-LIFE**

PUBBLICAZIONI

* Corresponding author

‡ Co-primo autore

1. **Bachir Balech***, Matteo Chiara, Monica Santamaria, Graziano Pesole (2020). **Variant Calling Algorithms Benchmark Using High Performance Computing**, In: *Atti dell'Incontro con Gli Utenti Data Center ReCaS Bari*. ISBN 978-88-492-3917-1. *In Press*
2. **Balech B***, Sandionigi A, Manzari C, Trucchi E, Tullo A, Licciulli F, Grillo G, Sbisà E, De Felici S, Saccone C, D'Erchia AM, Cesaroni D, Casiraghi M, and Vicario S. (2018). **Tackling critical parameters in metazoan meta-barcoding experiments: a preliminary study based on coxI DNA barcode**. *PeerJ* 6. Art. E4845. DOI 10.7717/PeerJ.4845
3. Delic D, **Balech B‡**, Radulovic M, Duric Z, Lolic B, Santamaria M, and Duric G. (2018). **Molecular identification of Tomato spotted wilt virus on pepper and tobacco in Republic of Srpska (Bosnia and Herzegovina)**. *European Journal of Plant Pathology* 150:785-789. DOI 10.1007/s10658-017-1313-7
4. **Bachir Balech***, Alfonso Monaco, Michele Perniola, Monica Santamaria, Giacinto Donvito, Saverio Vicario, Giorgio Maggi, Graziano Pesole. (2018). **DNA Multiple Sequence Alignment Guided by Protein Domains: The MSA-PAD 2.0 Method**. In: Pantaleo V., Chiumenti M. (eds) *Viral Metagenomics. Methods in Molecular Biology*, 1746: 173-180. Humana Press, New York, NY.
5. Santamaria M, Fosso B, Licciulli F, **Balech B**, Larini I, Grillo G, De Caro G, Liuni S, and Pesole G. (2018). **ITSoneDB: a comprehensive collection of eukaryotic ribosomal RNA Internal Transcribed Spacer 1 (ITS1) sequences**. *Nucleic Acids Research* 46:D127-D132. 10.1093/nar/gkx855
6. Alex R Hardisty, Finn Bacall, Niall Beard, Maria-Paula Balcázar-Vargas, **Bachir Balech**, et al. (2016). **BioVeL: A virtual laboratory for data analysis and modelling in biodiversity science and ecology**. *BMC Ecology*, 16(1):49. DOI 10.1186/s12898-016-0103-y.
7. Duška Delić*, **Bachir Balech***, Mariana Radulović, Biljana Lolić, Ana Karačić, Vera Vukosavljević, Gordana Đurić, Tatjana Jovanović Cvetković (2016). **Vmp1 and stamp genes variability of 'Candidatus phytoplasma solani' in Bosnian and Herzegovinian grapevine**. *European Journal of Plant Pathology*, 145, 221-225. Online ISSN 1573-8469. DOI 10.1007/s10658-015-0828-z.
8. Daniele Rosellini, Nicoletta Ferradini, Stefano Allegrucci, Stefano Capomaccio, Elisa Debora Zago, Paola Leonetti, **Bachir Balech**, Riccardo Aversano, Domenico Carputo, Lara Reale, Fabio Veronesi. (2016). **Sexual polyploidization in *Medicago sativa* L.: impact on the phenotype, gene transcription and genome methylation**. *G3: Genes/Genomes/Genetics*, 6(4):925-938. DOI:10.1534/g3.115.026021.
9. Loglisci C, **Balech B** and Malerba D. (2015) **Discovering Variability Patterns for Change Detection in Complex Phenotype Data**. *Lecture Notes in Artificial Intelligence*. In: F. Esposito et al. (Eds.): ISMIS 2015, LNAI 9384, pp. 9–18. DOI: 10.1007/978-3-319-25252-0 2.
10. Colella R, **Balech B**, Vaccina A, Leo P and Scioscia G. (2015) **Renewing Bioinformatics Workflow Systems by Using a Web 2.0 Approach**. *EMBnet.journal*, 21. ISSN 2226-6089. <http://dx.doi.org/10.14806/ej.21.0.840>
11. **Balech B**, Vicario S, Donvito G, Monaco A, Notarangelo P and Pesole G. (2015) **MSA-PAD: DNA Multiple Sequence Alignment Framework Based on PFAM Accessed Domain Information**. *Bioinformatics* 31, 2571-2573. DOI: 10.1093/bioinformatics/btv141.

12. Sandionigi A, Vicario S, Prosdocimi EM, Galimberti A, Ferri E, Bruno A, **Balech B**, Mezzasalma V and Casiraghi M. (2015). **Towards A Better Understanding of Apis Mellifera and Varroa Destructor Microbiomes: Introducing 'Phyloh' as a Novel Phylogenetic Diversity Analysis Tool**. Molecular Ecology Resources 15, 697-710. DOI: 10.1111/1755-0998.12341.
13. Vos Ra, Biserkov JV, **Balech B**, Beard N, Blissett M, Brenninkmeijer C, Van Dooren T, Eades D, Gosline G, Groom QJ, Hamann TD, Hettling H, Hoehndorf R, Holleman A, Hovenkamp P, Kelbert P, King D, Kirkup D, Lammers Y, Demeulemeester T, Mietchen D, Miller Ja, Mounce R, Nicolson N, Page R, Pawlik A, Pereira S, Penev L, Richards K, Sautter G, Shorthouse Dp, Tähtinen M, Weiland C, Williams Ar, Sierra S. (2014). **Enriched Biodiversity Data as a Resource and Service**. Biodiversity Data Journal (2):E1125. DOI: 10.3897/Bdj.2.E1125. eCollection 2014.
14. Giacinto D, Saverio V, Notarangelo P and **Bachir B**. (2012). **The Biovel Project: Robust Phylogenetic Workflows Running on the Grid**, In: Egi Community Forum 2012/Emi Second Technical Conference, Proceedings of Science (Egicf12-Emitc2)029.

DOCENZE

03 – 07 Novembre 2014: Invited teacher al corso “**An introduction to bioinformatic tools for metagenetic and population genomic data analysis**”, University of Gothenburg, Svezia;

04 – 08 Novembre 2013: Invited teacher al corso “**An introduction to bioinformatic tools for metagenetic and population genomic data analysis**”, University of Gothenburg, Svezia;

CONGRESSI

1. Santamaria M, **Balech B**, Fosso B, Manzari C, Marzano M, Gissi C, De Filippis T, Zingone A, Pesole G (2018). **Biomolecular Thematic Centre: recent advances and future perspectives**. Conferenza Annuale di LifeWatch Italia Roma, 25-27 Giugno. ISBN: 9788880803188. (Abstract e Presentazione orale)
2. Bergami C., **Balech B.**, Boggero A. Cianferoni F., Colangelo P., De Felici S., Fiore N., Oggioni A., Pierri C., Roselli L., Stanca E., Tagliolato P., Rosati I. (2018). **The key role of semantics for data integration and interoperability in biodiversity and ecosystems research**. Conferenza Annuale di LifeWatch Italia Roma, 25-27 Giugno. ISBN: 9788880803188. (Abstract).
3. Rosati I., **Balech B.**, Bergami C., Boggero A., Bombi P., Cianferoni F., Colangelo P., De Felici S., Fiore N., Manca M. T., Oggioni A., Pierri C., Tagliolato P. (2018). Conferenza Annuale di LifeWatch Italia Roma, 25-27 Giugno. ISBN: 9788880803188. (Abstract).
4. Colangelo P., **Balech B.**, Boggero A., Bombi P., Fiore N., Oggioni A., Pierri C., Tagliolato P. (2018). **Opportunities and challenges of Virtual Research Environments for biodiversity study**. Conferenza Annuale di LifeWatch Italia Roma, 25-27 Giugno. ISBN: 9788880803188. (Abstract).
5. Pierri C., Colangelo P., Bergami C., **Balech B.**, Cianferoni F., De Felici S., Fiore N., Oggioni A., Tagliolato P., Rosati I., Boggero A. **Assessing habitats vulnerability - a macroecological approach within the LifeWatch Italy “Alien Species Show Case”**. Conferenza Annuale di LifeWatch Italia Roma, 25-27 Giugno. ISBN: 9788880803188. (Abstract).
6. B. Fosso, M. Santamaria, C. Manzari, C. Lionetti, A. M. D'Erchia, C. Gissi, **B. Balech** and G. Pesole (2016). **Characterization Of The Eukaryotic Microbiome By 18s Rrna Metabarcoding Data Analysis And Assessment Of The Relative Resolution Of V4 And V9 Regions**. 41st CIESM the Mediterranean Science Commission, 12-16 September Kiel, Germany (Minireview).
7. **Bachir Balech**, Saverio Vicario, Giacinto Donvito, Alfonso Monaco, Pasquale Notarangelo and Graziano Pesole (2015). **MSA-PAD: Novel DNA Multiple Sequence Alignment Guided by PFAM Conserved Domains**. Nettab and Integrative Bioinformatics, 14-16 October, Bari, Italia (Abstract & Oral presentation). Info: <http://www.igst.it/nettab/2015/programme/oral-communications/>

8. Duška Delić, **Bachir Balech**, Mariana Radulović, Biljana Lolić, Ana Karačić, Tatjana Jovanović Cvetković (2015). Characterization of vmp1 gene of grapevine stolbur isolates from Bosnia and Herzegovina, in: Proceeding of the 18th Congress of ICVG, 7 – 11 September, Ankara, Turkey (Abstract).
9. Picardi E, Lionetti C, Manzari C, Aiello I, Annese A, Fosso B, **Balech B**, D'Erchia A.M, Pesole G (2014). **Exploring RNA editing alterations in ncRNAs of tumor samples through REDIttools**. FEBS Workshop: Decoding non-coding RNAs in development and cancer, Capri – Italia (Abstract).
10. Monica Santamaria, Bruno Fosso, Caterina Manzari, Marinella Marzano, Marianna Intranuovo, Alessio Valletti, Francesca Mastropasqua, Italia Aiello, Anita Annese, **Bachir Balech**, Chrysovalentinos Pousis, Sgaramella Giuseppe, Teresa De Filippis, Ernesto Picardi, Anna Maria D'Erchia and Graziano Pesole (2014). **Analysis of the gut microbiome through a novel Illumina MiSeq sequencing-based strategy and ad hoc developed bioinformatics resources**. 7th International Immunonutrition Workshop, Carovigno – Italia (Abstract).
11. **Balech B**, Vicario S, Donvito G, Monaco A, Notarangelo P, Pesole G (2014). **High Accuracy Multiple DNA Sequence Alignment Guided by Single/Multiple Protein Coding Domains**. Eleventh Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society (BITS2014), Bari - Italia (Abstract).
12. **Balech B**, Vicario S (2014). **Mean phylogenetic surprise: a unit of measure for describing changes across biological communities**. Eleventh Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society (BITS2014), Bari - Italia (Abstract).
13. Leonetti P., **Balech B.**, De Giovanni C., Pesole G., Veronesi F., Rosellini D. (2013). **Methylation State In Medicago Sativa Polyploidized Plants**, in: Proceedings of the 57th Italian Society of Agricultural Genetics Annual Congress. (Abstract, ISBN 978-88-904570-3-6).
14. Saverio Vicario, **Bachir Balech**, Caterina Manzari, AnnaMaria Paluscio, Apollonia Tullo, Giorgio Grillo, Donatella Cesaroni, Bianca Lombardo, Maurizio Casiraghi (2011). **Charting the unknown at twilight: partitioning phylogenetic diversity across samples on Barcode environmental sequencing when reference data are sparse**. NGS 2011 Next Generation Sequencing Workshop 3rd Edition (Abstract).
15. **Bachir Balech**, Anna Maria D'Erchia, Saverio Vicario (2011). **Exploring Folmer Universal Primers Bias In Environmental 454 Pyrosequencing Using Real-Time PCR Approach**. NGS 2011 Next Generation Sequencing Workshop 3rd Edition (Abstract & Oral Presentation).
16. **Balech, B.**, Yassen, T., D'Onghia, A. M., Vicario, S., Santamaria, M., Saccone, C. (2010). **DNA barcode: a standardized approach for species identification**. 28th International Horticultural Congress, Lisboa-Portugal, 22-27 August 2010 (Abstract & Oral Presentation).
17. **Balech B.**, Creanza T.M., Di Tota F., Scioscia G. and Leo P. (2010). **A Bioinformatic Workflow for Grapevine Viral Diseases Analysis with Reference to Grapevine Leafroll Complex**. Bioinformatics Italian Society (BITS) Congress, 16 April 2010, Bari-Italy (Abstract).
Info: http://bits2010.ba.itb.cnr.it/index.php?option=com_content&view=article&id=61&Itemid=63
18. Di Tota F., **Balech B.**, Lobefaro A., Falcone A., Vaccina A., Scioscia G. and Leo P. (2010). **Viral-KB: an integrated Knowledge-Base to support Viral molecular biodiversity studies**. Bioinformatics Italian Society (BITS) Congress, 16 April 2010, Bari-Italy (Abstract).
Info: http://bits2010.ba.itb.cnr.it/index.php?option=com_content&view=article&id=61&Itemid=63
19. Corrado Loglisci, Andrea Falcone, **Bachir Balech**, Pietro Leo (2009). **First-Order Frequent Pattern Mining for Analyzing Complex Phenotype Data**. Bio-Logical 2009 Logic-Based Approaches in Bioinformatics. A Satellite Workshop of the AI*IA 2009: XI Conference of the Italian Association for Artificial Intelligence (short communication).
20. **B. Balech**, T. Yaseen, A. Ippolito, C. Saccone, S. Vicario, M. Santamaria, A. M. D'Onghia, (2008). **Variability of Fusarium spp. in citrus rhizosphere**. 11th international Citrus Congress, Huazhong, China, 26-30 October 2008 (Abstract).

WORKSHOP E HACKATHONS

- 29 – 30 January 2020: ELIXIR Biodiversity Working Group F2F meeting, Milano – Italia.
- 26 – 28 February 2020: LifeWatch ERIC WORKSHOP “Online Bioinformatic Platforms To Support Metabarcoding And Metagenomics Research And Applications”, Porto – Portogallo.
- 11-14 July 2017: Workshop del titolo ‘Ontology & Semantic Web for Research’, Lecce – Italia.
- 08 – 09 June 2016: “the ENPADASI Hackathon”, Istituto Nazionale di Fisica Nucleare, Bari-Italia.
- 11 – 13 Maggio 2016: corso intensivo del titolo “Graphical Card Programming CUDA”, Istituto Nazionale di Fisica Nucleare, Bari-Italia.
- 28 Settembre – 02 Ottobre 2014: Workshop and School on Cancer, Systems and Complexity, Como – Italia; Info: <http://csac.lakecomoschool.org/>
- 17 – 21 Marzo 2014: Data enrichment hackathon, Leiden – Olanda; Info: http://wiki.pro-ibiosphere.eu/wiki/Data_enrichment_hackathon_March_17-21_2014
- 26 – 28 Febbraio 2014: Eleventh Annual Meeting of the Bioinformatics Italian Society (BITS), Roma – Italia; Info: <http://bits2014.uniroma2.it/>
- 12 – 14 Febbraio 2014: Strategy workshop, Rovaniemi – Finlandia;
- 16 – 18 Ottobre 2013: NETTAB 2013 workshop “Semantic, Social, and Mobile Applications for Bioinformatics and Biomedical Laboratories, Venezia Lido – Italia; Info: www.nettab.org/2013/
- 16 – 19 Settembre 2013: Società Italiana di Genetica Agraria (SIGA), 57mo congresso annuale, Foggia – Italia; Info: <http://www.geneticagraria.it/home.asp>
- 21 – 22 Marzo 2013: Ocean Sampling Day Workshop Bremen, Bremen – Germania;
- 10 – 14 Dicembre 2012: Sequence Data Analysis Training School, Wageningen – Olanda. Info: <http://www.basgen.nl/sdac/>
- 14 – 16 Novembre 2012: Integrated Bio-Search NETTAB 2012. Presentazione orale del titolo “The Biovel Project: Robust phylogenetic workflows running on the GRID”, Como – Italia; Info: <http://www.nettab.org/2012/>
- 12-14 Ottobre 2011: “Workshop on Next Generation Sequencing”, terza edizione, presso Palazzo Ateneo, Università degli Studi di Bari “Aldo Moro”, Bari – Italia; Info: http://mi.caspur.it/workshop_NGS10/
- 29 Agosto – 1 Settembre 2011: “Third Italian Workshop on Phylogenetic Methods and Applications”, presso Polo Universitario Asti Studi Superiori, Società Italiana di Biologia Evoluzionista (SIBE), Asti – Italia; Info: <https://sites.google.com/site/italianphylogenyworkshop/>
- 3-4 Marzo 2011: “2° Incontro Utilizzatori Italiani della Tecnologia 454 Roche”, presso Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB)-CNR, sede di Bari – Italia; Info: <http://www.ba.itb.cnr.it/>
- 30 Marzo 2010: Seminario Bio-Rad con argomenti: “Gene-Expression Analysis; from the beginnings to the state of art. The relevance of reference genes, RNA quality and the importance of MIQE guidelines” e “HRM the Bio-Rad way. New opportunity for genomic screening and mutation analysis with real-time PCR instruments”, organizzato dall’azienda Bio-Rad Laboratories S.r.l. Life Science Group, presso Facoltà di Scienze Biotecnologiche, Università degli Studi di Bari “Aldo Moro”, Bari – Italia;

- 14 Aprile 2010: Tutorial in “Phylogenetic analysis based on mixed models performed on the LIBI platform powered by HPC facility high performance computing facilities” e Tutorial in “Metagenomics and metadata analysis”, VII Annual General Meeting of Italian Society of Bioinformatics (BITS);
Info: <http://www.bioinformatics.it/>;
- 06-08 Ottobre 2010: “Workshop on Next Generation Sequencing”, seconda edizione, presso Palazzo Ateneo, Università degli Studi di Bari “Aldo Moro”, Bari – Italia.
Info: http://mi.caspur.it/workshop_NGS10/;
- 19-20 Novembre 2009: II International Symposium “Microsafetywine”, Martina Franca-Italia.
- 9-10 Luglio 2009: Workshop dal titolo: “Biodiversità Molecolare: concetti di base, tecnologie, applicazioni”, Consiglio Nazionale delle Ricerche, Roma – Italia;
Info: <http://www.cnr.it/>
- 16-18 Settembre 2009: “Workshop on Next Generation Sequencing”, prima edizione, presso Facoltà di Scienze Biotechnologiche, Università degli Studi di Bari “Aldo Moro”, Bari – Italia;
Info: http://mi.caspur.it/workshop_NGS09/;
- 16 Aprile 2009: Next Generation Sequencing - Applicazione delle nuove tecniche di sequenziamento a diverse tipologie di analisi biologiche. Bioinformatics Italian Society (B.IT.S.) (Workshop), Bari – Italia;
Info: <http://www.bioinformatics.it/>;
- 18 – 20 Settembre 2008: Tutorial su “GRID computing”, EMBnet Conference 2008, Martina Franca – Italia;
Info: <http://www.embnet.org>;
- 22 – 23 Luglio 2008: Workshop dal titolo: “Il DNA Barcode: Progetto Chiave per lo studio e le applicazioni della Biodiversità Molecolare”. Consiglio Nazionale delle Ricerche, Roma – Italia;
Info: <http://www.cnr.it/>

ATTIVITÀ DI REFERAGGIO DI PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE

- ✓ **PLOS ONE**
- ✓ **PeerJ**
- ✓ **International Journal of Genomics**
- ✓ **Virology Journal**

RICONOSCIMENTI INTERNAZIONALI

29 Maggio 2009: **BEST MASTER OF SCIENCE THESIS** dal titolo “**An Integrated Molecular and Morphological Study to Design a DNA Barcode Discrimination Protocol for *Fusarium* species Involved in Dry Root Disease of Citrus**”. Centre International De Hautes Etudes Agronomiques Méditerranéennes CIHEAM-11, rue Newton, 75116 PARIS.
Info: <http://www.ciheam.org>;

CONOSCENZE INFORMATICHE E BIOINFORMATICHE

- Ottima conoscenza di Galaxy e Taverna Workflow Management Systems;
- Ottima conoscenza dei linguaggi di programmazione: Python, BioPython, MySQL, Cython;
- Ottima conoscenza dei pacchetti di statistica R, Numpy, Scipy;
- Utilizzo avanzato della Bash shell in ambiente UNIX;
- Utilizzo avanzato dei sistemi di retrieval e di interrogazione “Application Programming Interface” (API) delle banche dati biologiche primarie e specializzati;
- Ottima conoscenza dei metodi di analisi filogenetiche: analisi bayesiana, maximum likelihood, neighbor-joining;
- Buona conoscenza di analisi statistiche di dati generati da Real-time PCR;

- Ottima conoscenza di software bioinformatici: pacchetto EMBOSS, pacchetto BLAST, pacchetto HMMer, pacchetto AmpliconNoise, pacchetto Usearch, Bioedit, MEGA, RAxML, BATS, MAUVE, MUSCLE, U-Gene, Clustal, PhyML, DEseq, EdgeR, BWA, Bowtie, Tophat, Samtools, FreeBayes, GATK;
- Buona conoscenza dei ambienti di sviluppo integrato: Eclipse, Geany.
- Buona conoscenza dei programmi di elaborazione grafica (Inkscape, Photoshop, Dia, Gimp, Lucichart);
- Ottima conoscenza dei programmi del pacchetto OFFICE AUTOMATION (Word, Excel, PowerPoint);
- Ottima conoscenza dei sistemi operativi WINDOWS, LINUX;

COMPETENZE TECNICHE DI LABORATORIO

- Isolamento in colture clonali di ceppi fungini da vari substrati;
- Determinazione tassonomica su base morfologica di funghi fitopatogeni;
- Determinazione tassonomica su base morfologica di insetti fitofagi;
- Biological indexing per testare la presenza delle Malattie Virale;
- ELISA;
- Estrazione e purificazione di acidi nucleici;
- PCR e qPCR;

CONOSCENZE LINGUISTICHE

	Comprensione				Parlato				Scritto	
	Ascolto		Lettura		Interazione orale		Produzione orale			
Italiano	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato
Inglese	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato
Francese	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato
Arabo	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato	C2	Utente avanzato	C1	Utente avanzato

Luogo e data,

Bari, 24/07/2020

Firma

Bachir Balech





UNIONE EUROPEA
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



Al Direttore della Stazione Appaltante
Dott. Daniela Corda
c/o CNR Dipartimento di Scienze
Biomediche – P.le Aldo Moro
00185 ROMA

Al RUP
Dr. Nicola Montemurro

Oggetto: DICHIARAZIONE DI ACCETTAZIONE DELL'INCARICO E DI ASSENZA DI CAUSE DI INCOMPATIBILITÀ E DI ASTENSIONE, PER LA NOMINA A COMPONENTE DELLA COMMISSIONE GIUDICATRICE PER LA GARA A PROCEDURA APERTA SOPRA SOGLIA PER L'AFFIDAMENTO DELLA FORNITURA GARA SOPRA SOGLIA COMUNITARIA MEDIANTE PROCEDURA TELEMATICA APERTA ART. 60 DEL D.LGS. 50/2016 E S.M.I., PER LA FORNITURA DI **PIATTAFORME DI GENOMICA, PROTEOMICA E METABOLOMICA** - CPV 38430000-8 APPARECCHI PER ANALISI E RIVELAZIONE - DA CONSEGNARE (E INSTALLARE) NELL'AMBITO DEL PROGETTO **PON R&I 2014-2020 PIR01_00017 CNRBIOMICS** - CENTRO NAZIONALE DI RICERCA IN BIOINFORMATICA PER LE SCIENZE "OMICHE", CUP B58D19000010005, DI CUI ALL'AVVISO N. 424/2018 AZIONE II.1, SUDDIVISA IN NOVE LOTTI FUNZIONALI.

LOTTO 1 Sistema per mappatura fisica dei genomi ad altissima risoluzione (BioNano Genomics o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_218055, CIG 8329824438;
LOTTO 2 Sistema robotizzato per l'automazione del processo di preparazione delle librerie NGS (Liquid Handler) - Codice univoco del bene PIR01_00017_210401, CIG 83298433E6;
LOTTO 3 Piattaforma di sequenziamento ad elevata processività (Illumina NovaSeq o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_211411, CIG 8329870A2C;
LOTTO 5 Sistema UHPLC-MS ad alta risoluzione (Orbitrap Fusion o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_219648, CIG 8329916025;
LOTTO 6 Piattaforma di sequenziamento di lunghe molecole di acidi nucleici (PacBio Sequel o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_205093, CIG 8329932D55;
LOTTO 7 Piattaforma di Real-Time PCR (QuantStudio 12K Flex System o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_219040, CIG 83299468E4;
LOTTO 8 Sistema di sequenziamento Sanger (SeqStudio Genetic Analyzer o equivalente) - Codice univoco del bene PIR01_00017_216512, CIG 83299571FA;





UNIONE EUROPEA
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DELL'ATTO DI NOTORIETA'

(art. 47 D.P.R. 28 dicembre 2000, n. 445)

Il sottoscritto Bachir BALECH, nato a Zahle (Libano) il 26/06/1981, con riferimento alla gara di cui in oggetto ed a seguito della comunicazione inviata dal RUP contenente l'intenzione di codesta Direzione di procedere alla nomina quale componente della Commissione giudicatrice, consapevole della responsabilità e delle conseguenze civili e penali previste in casi di rilascio di dichiarazioni mendaci e/o formazione di atti falsi e/o uso degli stessi, ai sensi e per gli effetti dell'art. 76 del D.P.R. n. 445/2000,

DICHIARA

- 1) Di accettare l'incarico di cui trattasi;
- 2) Di uniformarsi ai principi contenuti nel "Codice di comportamento dei dipendenti delle Pubbliche Amministrazioni" (di cui D.P.R. 16/4/2013, n. 62 - pubblicato nella Gazzetta Ufficiale 4 giugno 2013, n. 129, in vigore dal 19 giugno 2013) nonché nel vigente "Codice di comportamento dei dipendenti CNR ai sensi dell'art. 54, comma 5, D. Lgs. 165/2001;
- 3) Di prendere atto che hanno presentato offerta i sottoelencati operatori economici:
 - BIOSENSE SRL, AURELIO SAFFI, CAP 20123 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 11928920153.
 - HAMILTON ITALIA SRL, VIA PARACELSO, 22 CAP 20864 AGRATE BRIANZA Codice fiscale/PARTITA IVA 06397950962
 - TECAN Italia srl, Via Brescia, 39, CAP 20063, Cernusco sul Naviglio MI, Codice fiscale 09615590156/PARTITA IVA 02750460962.
 - ILLUMINA ITALY s.r.l., Via Senigallia, 21 cap 20161 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 06814140965
 - PACIFIC BIOSCIENCES OF CALIFORNIA, Inc., Menlo Park, California, 1305 O'Brien Drive, 94025, Tax Codice 16-1590339.
 - LIFE TECHNOLOGIES ITALIA FIL. LIFE TECHNOLOGIES EUROPE B.V. , Via Pisani, 20 CAP 20124 MILANO Codice fiscale/PARTITA IVA 12792100153.
 - THERMO FISHER SCIENTIFIC S.p.A, Strada Rivoltana KM 4, SNC, CAP 20053, Rodano (MI) Codice fiscale/PARTITA IVA 07817950152
- 4) L'assenza¹ di conflitto di interesse di cui all'art. 42 comma 2 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

¹ Art. 42, comma 2 (Conflitto di interesse) Si ha conflitto d'interesse quando il personale di una stazione appaltante o di un prestatore di servizi che, anche per conto della stazione appaltante, interviene nello svolgimento della procedura di aggiudicazione degli appalti e delle concessioni o può influenzarne, in qualsiasi modo, il risultato, ha, direttamente o indirettamente, un interesse finanziario, economico o altro interesse personale che può essere percepito come una minaccia alla sua imparzialità e indipendenza nel contesto della procedura di appalto o di concessione. In particolare, costituiscono situazione di conflitto di interesse quelle che determinano l'obbligo di astensione previste dall'art. 7 del DPR 16 aprile 2013, n° 62.

Art. 77, commi 4, 5 e 6 (Commissione giudicatrice) 4 - I commissari non devono aver svolto né possono svolgere alcun'altra funzione o incarico tecnico o amministrativo relativamente al contratto del cui affidamento si tratta. La nomina del RUP a membro delle commissioni di gara è valutata con riferimento alla singola procedura. 5 - Coloro che, nel biennio antecedente all'indizione della procedura di aggiudicazione, hanno ricoperto cariche di pubblico amministratore, non possono essere nominati commissari giudicatori relativamente ai contratti affidati dalle Amministrazioni presso le quali hanno esercitato le proprie funzioni d'istituto. 6 - Si applicano ai commissari e ai segretari delle commissioni l'articolo 35-bis del D.LGS. 30 marzo 2001, n. 165, l'articolo 51 del C.P.C., nonché l'articolo 42 del D.LGS. 50/2016 e s.m.i. Sono altresì esclusi da successivi incarichi di commissario coloro che, in qualità di membri delle commissioni giudicatrici, abbiano concorso, con dolo o colpa grave accertati in sede giurisdizionale con sentenza non sospesa, all'approvazione di atti dichiarati illegittimi.

CNR.BiOmics
BIG DATA FOR BETTER LIFE





UNIONE EUROPEA
Fondo Europeo di Sviluppo Regionale
Fondo per lo Sviluppo e la Coesione



- 5) L'assenza¹ delle cause di incompatibilità e di astensione di cui all'art. 77, commi 4, 5 e 6 del D. Lgs. 50/2016 e s.m.i.;

Allega alla presente il proprio *curriculum vitae* nonché copia di un documento di identità in corso di validità, nel caso di sottoscrizione con firma autografa.

Luogo e data

Bari, 27/07/2020

Firma
Bachir BALECH



BACHIR
BALECH
ARUBA S.P.A.
27.07.2020
10:57:11 UTC

Art. 7, DPR 62/2013 (Obbligo di astensione) Il dipendente si astiene dal partecipare all'adozione di decisioni o ad attività che possano coinvolgere interessi propri, ovvero di suoi parenti, affini entro il secondo grado, del coniuge o di conviventi, oppure di persone con le quali abbia rapporti di frequentazione abituale, ovvero, di soggetti od organizzazioni con cui egli o il coniuge abbia causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito significativi, ovvero di soggetti od organizzazioni di cui sia tutore, curatore, procuratore o agente, ovvero di enti, associazioni anche non riconosciute, comitati, società o stabilimenti di cui sia amministratore o gerente o dirigente. Il dipendente si astiene in ogni altro caso in cui esistano gravi ragioni di convenienza.

Art. 35-bis, D.LGS. 165/2001 (Prevenzione del fenomeno della corruzione nella formazione di commissioni e nelle assegnazioni agli uffici) 1. Coloro che sono stati condannati, anche con sentenza non passata in giudicato, per i reati previsti nel capo I del titolo II del libro secondo del codice penale: a) non possono fare parte, anche con compiti di segreteria, di commissioni per l'accesso o la selezione a pubblici impieghi; b) non possono essere assegnati, anche con funzioni direttive, agli uffici preposti alla gestione delle risorse finanziarie, all'acquisizione di beni, servizi e forniture, nonché alla concessione o all'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari o attribuzioni di vantaggi economici a soggetti pubblici e privati; c) non possono fare parte delle commissioni per la scelta del contraente per l'affidamento di lavori, forniture e servizi, per la concessione o l'erogazione di sovvenzioni, contributi, sussidi, ausili finanziari, nonché per l'attribuzione di vantaggi economici di qualunque genere.

Art. 51 C.P.C. (Astensione del giudice) Il giudice ha l'obbligo di astenersi: 1) se ha interesse nella causa o in altra vertente su identica questione di diritto; 2) se egli stesso o la moglie è parente fino al quarto grado o legato da vincoli di affiliazione, o è convivente o commensale abituale di una delle parti o di alcuno dei difensori; 3) se egli stesso o la moglie ha causa pendente o grave inimicizia o rapporti di credito o debito con una delle parti o alcuno dei suoi difensori; 4) se ha dato consiglio o prestato patrocinio nella causa, o ha deposto in essa come testimone, oppure ne ha conosciuto come magistrato in altro grado del processo o come arbitro o vi ha prestato assistenza come consulente tecnico; 5) se è tutore, curatore, amministratore di sostegno, procuratore, agente o datore di lavoro di una delle parti; se, inoltre, è amministratore o gerente di un ente, di un'associazione anche non riconosciuta, di un comitato, di una società o stabilimento che ha interesse nella causa. In ogni altro caso in cui esistano gravi ragioni di convenienza, il giudice può richiedere al capo dell'ufficio l'autorizzazione ad astenersi; quando l'astensione riguarda il capo dell'ufficio, l'autorizzazione è chiesta al capo dell'ufficio superiore.

CNR.BiOmics
BIG DATA FOR BETTER LIFE



CNR Dipartimento di Scienze Biomediche - Piazzale Aldo Moro 7, 00185 Roma